F301  hold2A 遺伝子の低調、塩およびABA応答性発現に異常が生じた変異体の単離と解析
中島一雄、三浦勝子、大河原健子、篠崎一雄、篠崎和子（国際農業生産資源、理科・植物分子生物）

F302 イネ植物体におけるエリシミー応答性遺伝子の組織特異的及びシステム的な発現
田部文、岡田光央、栗栄一、渋谷直人（農水省・生物研）

F303 A possible involvement of superoxide generation in salicylic acid-induced stomatal closure in Vicia faba
Izumi C. Mori, Reinhard Pinloetz, Tonomori Kawano, Shoshi Muto 1,2 (Nagoya Univ. Biosci. Center, 1Grad. School Bicgari. Sci, Nagoya Univ.)

F304 シロイヌナズナDNA傷害応答遺伝子の新領域の解析
前田智秀、渡邊香希子、高橋直次、平岡和夫（奈良先端大・バイオ）

F305 シロイヌナズナAT3RPK1遺伝子の破壊変異および乾燥ストレス、ABAによる転写量の変化
河野友子、松岡大介、南森隆史、東哲司、安田武司（神大院・自然科学）

F306 イネサンピシ種のエリシミー遺伝子の単離及びその遺伝子の探索
鈴木宏幸、栗原健、渋谷直人（農水省・生物研）

F307 ジャガイモ植物のエリシミー応答性MAPキナーゼ
加藤新平、仙童信雄、吉岡浩太、遠藤政宏、川北一人（名大院・生命農学・資源生物機能、岡山生科総研）

F308 イネ酸素ストレス防御遺伝子に存在する酸素ストレス応答性新規シスレストランメント
森田重人1,2, 平根光成、平野悦子、増本慎宏1,2, 田中英介1,2, (京都府大・農、資源化、京都府農業センター)

F309 乾燥・塩・低温応答性シスレストランメントDREに結合するDREB1をコードしている遺伝子群のプロモーター解析
谷田義和、中島一雄、Zabta K. Shinwari, 篠崎和子、篠崎一雄（国際農業生産資源、理科・植物分子生物）

F310 Comparative analysis in biochemical characteristics of OsRab7 with its mutants

F311 シロイヌナズナにおけるサークアイディアリスク関連遺伝子APRR/TOC1ファミリーの解析 (1)：疑似レポジションシスレギュレーターの発現とサークアイディアウェーブ
牧野聖也、松田健昭、小島正也、水野猛（名大院・生命農）

F312 シロイヌナズナにおけるサークアイディアリスク関連遺伝子APRR/TOC1ファミリーの解析 (2)：何時どのようにしてサークアイディアウェーブは開始されるか？
松田健昭、牧野聖也、小島正也、水野猛（名大院・生命農）

F313 ラン薄包日時計に関与するHis-キナーゼと相互作用するレポジションシスレギュレーターの同定と機能解析
藤原和也、岩崎秀雄1, 三輪久美子、斎藤浩文、長渕孝男、水野猛（名大院・生命農、名大院・生命理）

F314 DNAチップを用いた運動性シアノバクテリアSynechocystis sp. PCC 6803におけるlexA様all269遺伝子破壊株の解析
亀井巌子1, 服部由香子、稲田直和、池内昌彦（東大・教養・生物、埼玉理・理・分子生物）

F315 運動性シアノバクテリアSynechocystis sp. PCC 6803におけるSer/Thr型プロテインキナーゼ（SpkA）の機能解析及び基質タンパク質の同定
亀井巌子、加賀亮一、河村直和、吉田淳、池内昌彦（東大・教養・生物）

F316 糖質の流動性による遺伝子発現の制御

F317 イネ騒音害の中に検出されるRNAに関する研究
真野弘浩1, 野口正己1, 東山克也1, 林浩昭1, 鶴原徹1, (1東大院・農, 2PRESTO・JST)

F318 イネのRING-H2 fingerをコードするcDNAの単離、同定とその発現
高井光太、田部茂、南栄一、長谷川宏司1, 渋谷直人1（筑波大・農、1筑波大・生物研、1筑波大・応生化）

F319 アラビアアブラシにおけるERF転写因子の機能解析
高木優、太田聡、細谷秀明（工技研・生命研・理学分野）

F320 細胞増殖に伴うシロイヌナズナRNAポリメラーゼII遺伝子の発現解析
木村利樹、松本知宏、谷口光良、柳原真1, 竹田寛美1, 永野猛、杉山達夫（名大院・生命農、1理研，2大阪女学大）

F321 シアノバクテリアSynechocystis sp. PCC 6803の光合性の光受容体と調節系に関与する新規遺伝子群
吉原静雄、鈴木有美子、瀧田浩徳1, 佐藤耕、池内昌彦（東大院・総合文化・生命環境、1名大院・理・生物）
シロイヌナズナのSNF1関連タンパク質キナーゼAtSR1はカルシウム結合タンパク質CBL2と相互作用する
野澤隆、小泉貴、草野雄延、佐野浩（奈良先端大・遺伝子教育研究センター）

光合成細胞のDSMO呼吸系遺伝子の二成分制御系による発現制御
半田卓史、佐藤敏生、山本勇（広島大・産・生）

シロイヌナズナのHis→Aspリン酸リレーシリ系因子AHKsとAHPsの機能解析
鈴木省吾、石川邦子、三輪久美子、水野敏（名大・生命農）

シロイヌナズナのHis→Aspリン酸リレーシリ系因子ARRsの機能解析
今村浩、吉野由里子、山崎正枝、水野敏（名大・生命農、農水省・生物研）

塩生植物アイスプラントおよびシロイヌナズナのタンパク質脱リン酸酵素タイプ2C（PP2C）遺伝子の機能解析
大室薫智、和田俊介、宮崎さおり1、福原敬行（東京農工大・農、細胞分子生物、1アリゾナ大）

シロイヌナズナの分裂組織で観察される受容性作物キナーゼ遺伝子IK3Kとそれと相互作用するAGL24遺伝子の解析
竹村美佐、藤原知香、横田明久、河内孝之（奈良先端大・バイオ）

Synecochystis sp. PCC6803株のグループ2シジマ因子sigD（all2012）の機能解析
中野浩之，鈴木伸樹1，村田紀夫1，田中寛，高橋秀夫（東大・分生研、基生研）

塩生植物Atriplex lentiformisにおけるGSK1/shaggyプロテインキナーゼ遺伝子の同定
辻田信也、南森隆司、東哲史、安田武司（神大・自然科学）

イネ3量体Gタンパク質サブユニット遺伝子の発現様式
藤澤由紀子，南美穂，大城聡，旭正，岩崎行行（福井県大・生物資源）

エクゾリング導入植物体を用いたカルシウムシグナルリング機能の解析
古市卓也，武藤勝志（名古屋大・生物分子応答研究センター）

■後半 情報伝導

S301 イネPrl遺伝子群の発現特性の解析
岩井孝之1,2,3,足立昌彦3,佐々木卓治1,大橋祐子1（農水省・生物研, 弘前CREST, 宮城県農業試験場）

S302 イネ3量体Gタンパク質サブユニットの生化学的解析
神谷尚洋, 石田大, 旭正, 岩崎行行 (福井県大・生物資源)

S303 イネのPKABAホモログ遺伝子SAPK1の構造及び機能の解析
小林雅子, 岩崎行行1, 原田洋, 服部信義1, 今田和, 長尾光男, 大川正浩, 黒田敬子 (農水省・生物研)

S304 アオウンタケサ151系統における安息香酸によるシオキサン誘導へのNF-κB転写因子の関与の可能性
新町隆史, 市川敏雄, 神谷直也, 田中敏, 田村敬夫 (帝京大学大学院理工系, 大阪大, 長岡技術, 岩手大, 阪大)

S305 AtNDK1と相互作用する因子のTwo-hybrid systemによる探索
佐藤俊介, 辻部尚也, 迎澤伸樹 (横浜市大・総合理学・木村生研)

S306 シロイヌナズナNDK遺伝子ファミリー構成遺伝子群の構築と解析
横本薰, 辻部尚也, 長田義彦, 田村哲一, 迎澤伸樹 (横浜市大・総合理学・木村生研, 1かずさDNA研究所)

S307 アカバンカビNDK1変異株ndk-1Cmを用いたNDK1機能の解析
吉田雄介, 辻部尚也, 迎澤伸樹 (横浜市大・総合理学・木村生研)

S308 タンパク質転写抑制因子ERF3と相互作用するエピジェネティクス関与因子結合酵素NtUBC2の解析
小山裕一, 江原崇, 北島俊作, 田中賢, 佐藤富士夫 (1京大院・農, 2RITE, 3工技生・生命工学, 4京大院・生命科学)

S309 シロイヌナズナ培養細胞における高濃度応答のシグナル伝達におけるホスホリバイバーゼの機能解析
高橋健司1,2,3,4,秋山隆, 田村和子1,2,3,4,田村一郎1,2,3,4 (理研・植物分子, 2筑波大・生物科学, 3国際農研・生物資源)

S310 タンパク質シグナル伝達系の構築と機能解析における応答性の解析
山川雅也1,2,3,4,光山一朗1,2,3,4,伊藤直子1,2,3,4,鐘田博1,2,3,4,大橋裕子1,2,3,4 (筑波大・生物科学, 1農水省・生物研・分生研, 1JST, CREST, 2JST, CREST)

S311 新規著調導入カルシウム結合タンパク質遺伝子OsSR1の発現制御
大村英明, 小倉千尋1, 武藤尚志, 欅田拓 (名古屋大・生物分子応答研究センター, 1オノラボ)

S312 トウモロコシ蚜傳染性病気の発症抑制の機能解析
小林公村, R. Kaldenhoff1, 飯野和盛 (大阪市大・産・生, 生物地球, 1Julius-von-Sachs-Institut für Biowissenschaften, Univ. Würzburg)

S313 健和性機能を利用したキチンオリゴ糖製造工学における機能解析
堀田光央1,2,3,伊藤悠希, 坂村正利1,2,3,豊谷直人1,2,3 (農水省・生物研, 2筑波大・応用生物化学)

S314 キチンオリゴマーがイネ培養細胞に誘導する初期応答の解析
秋本春, 塚田幸治, 辻村芳明, 坂野勝浩, 池谷直人, 丹下一 (農水省・生物研)
S315 タンパク質性エリシターにより誘導されるタパ校養細胞の過敏性細胞死におけるイオンチャネルの役割

門田 延弘, 中村 良子, 玉内亮介, 平安貴一, 武藤 尚志, 柿澤 和幸（東京理科大学・理工・応用生物, 1名古屋大・生
物分子応用センター）

S316 イネ培養細胞においてオリゴ糖エリシターにより活性化されるプロテインキナーゼの性質

矢部利一, 小松 篤子, 渋谷直人, 柿沢 和幸（東京理科大学・理工・応用生物, 1名古屋大・生物分子応用セン
ター）

S317 キチンオリゴ糖エリシターにより誘導されるイネ培養細胞のイオンフラックスの分子構造の解析

門田 延弘, 玉内亮介, 中村 良子, 渋谷直人, 柿沢 和幸（東京理科大学・理工・応用生物, 1名古屋大・生
物分子応用センター）

S318 イネ培養細胞のキチンエリシターによる活性酸素生成の制御機構の解析

山崎大樹, 什原 勝美, 渋谷 直人（名古屋大・生物分子応用センター）

S319 ビオチン化アフシン酸を用いた気孔孔縁細胞のABA結合部位の可視化

山崎大樹, 什原 勝美, 渋谷 直人（名古屋大・生物分子応用センター）

S320 ソラマメ孔縁細胞からのSNF1関連プロテインキナーゼcDNAの単離とキナーゼの活性解析

富永美寿喜, 重水俊則, 木下俊則, 鳥嶋 研一郎（九州大学・理工・生命科学）

S321 気孔孔縁細胞に発現するカルシウム依存性プロテインキナーゼの解析

重水俊則, 木下俊則, 鳥嶋 研一郎（九州大学・理工・生命科学）

S322 ルシフェラーゼ・レポーター遺伝子によるペチニア・ジンクフィンガー遺伝子ZPT2-3のストレス応答プロファイ
ルの解析

上中聖, 菅野 超治, 高辻 博志（名古屋大学・生物研究）

S323 ラン種 Synechocystis sp. PCC6803の低温処理機構の解析

鈴木 真規, 藤崎 幸夫, 森田 紀夫（基盤研究, 1総研大）

S324 イネの低温・塩ストレス条件下におけるOsCPK7シナラル系の構築と開発について

木下秀夫, 西條 隆介, 石山 透, 早川 俊彦, 本村 強, 畑 信吾, 山谷 知行, 泉井 晃（京大農・生命科
学, 1東北大学・農・応用生物）

S325 オゾンにより誘導される葉の可視障害の発症と発病に伴うガス変化について

玉置 弘, 松山 崇, 鳥崎 信夫, 久保 保明, 青野 光子, 佐治 光（国立環境研究, JST）

S326 ボプラの2つのプロテインキナーゼの発現と酵素活性

西口 秀, 角田 敏郎（農徳大学・森林総研）

S327 高等植物における新規なACC系プロテインキナーゼの同定

藤原 希, 松田 大介, 南森 隆司, 東 哲司, 安田 良司（1神大農・1神大院・自然科学研究）

S328 シロイヌズナのヒステジンキナーゼATHK1のdominant negative 型変異遺伝子を導入した形質転換植物の解析

浦部 剛, 刑部 祐子, 垣崎 一雄, 垣崎 和子（農徳大学・国際農研・生物資源, 1理研・植物分子）

S329 アラビアバイスニ成分細胞因子ATR3R/AR4R/ARCBおよびATR3R/AR4Rの形質転換植物体による、サイトカイ
ンシナリオに対する機能解析

刑部 祐子, 浦部 剛, 垣崎 一雄, 垣崎 和子（農徳大学・国際農研, 1理研・植物分子）

S330 シロイヌズナMYC正向性タンパク質rd22BP1及びMYB正向性タンパク質ATMYB2のABAシグナリシングにおける研究

安部 茂, 浦部 剛, 垣崎 一雄, 垣崎 和子（農徳大学・国際農研, 1理研・植物分子）

S331 トウモロコシ由来新規ヒスチジンキナーゼcDNAのクローニング

植原圭子, 早川 勝彦, 杉山 達夫, 山谷 知行, 榊原 均（1理研・植物科学, 1名古屋大学・生命農学, 1東北大学・農）