

一般講演（ポスター）プログラム

著者が 9 名以上の講演は, 紙面の都合上 9 番目以下の著者を省略させていただきます。全著者名は要旨集の要旨を参照して下さい。

エネルギー変換・物質代謝

- P001 Chlorophyll *d* の可逆的な酸化還元反応
 鶴達也¹, 鈴木健裕², 平野恵美³, 土屋徹^{1,4}, 宮下英明^{1,4}, 堂前直², 三室守^{1,4} (1京大院・地球環境, 2理研・バイオ解析, 3日大院・総合基礎科学, 4京大院・人間環境)
- P002 光化学系 II におけるクロロフィル *Z* の光酸化経路
 北嶋裕一, 野口巧 (筑波大・数理物質科学)
- P003 高出力青色発光ダイオードを光源とする蛍光光度計を使った葉緑体 *Qa*・*Qb* 間の阻害状態の調査
 山下魏 (愚楽菜虫 (Granum)・自家内実験室, 鳥取)
- P004 変異導入による光合成光化学系 II における PsbL の機能解析
 川本慎哉, 豊島喜則 (関西学院大学・理工)
- P005 表在性 PsbO 蛋白の PSII 膜蛋白への静電的結合に関与するリジン残基
 榎並勲¹, 藤利彰彦¹, 鈴木健裕², 堂前直², 太田尚孝¹ (1東理大・理, 2理研・バイオ解析)
- P006 PsbY タンパク質はラン色細菌光化学系 II の表在性タンパク質の結合に関与している
 伴亜希子, 佐藤和彦, 菓子野康浩 (兵庫県立大院・生命理学)
- P007 ラン色細菌光化学系 II 酸素発生系における PsbU の機能
 井上名津子^{1,2,3}, 菓子野康浩^{2,3}, 佐藤和彦³, 寺島一郎¹, Himadri Pakrasi² (1大阪大院・理, 2Biology, Washington University in St. Louis, 3兵庫県立大院・理)
- P008 ラン色細菌 PSII における脂質の役割
 Jing Leng¹, Isamu Sakurai², Hajime Wada², Jian-Ren Shen^{1,3} (1Graduate School of Natural Science and Technology, Okayama University, 2Graduate School of Arts and Sciences, The University of Tokyo, 3PRESTO, JST)
- P009 単一細胞顕微蛍光分光法による *C₄* 植物組織の網羅的解析
 磯村裕介^{1,2}, 杉浦花菜², 柴田穰², 伊藤繁² (1名大院・理・生命理学, 2名大院・理・物質理学)
- P010 好熱・好酸性原始紅藻の光化学系 I 複合体の解析
 高橋武志, 澤加奈, 菓子野康浩, 佐藤和彦 (兵庫県立大院・生命理学)
- P011 シロイヌナズナ電子伝達フラビン蛋白-ユビキノン酸化還元酵素の機能解析
 石崎公康¹, Tony A. Larson², Nicolas Schauer³, Alisdair R. Fernie³, Ian A. Graham², Christopher J. Leaver¹ (1オックスフォード大学植物科学科, 2Department of Biology, CNAP, University of York, 3Max-Planck-Institut für Molekulare Pflanzenphysiologie)
- P012 RuBisCO の small-subunit 量の減少が *rbcL* の発現に与える影響
 市川雄彦, 新名惇彦, 加藤晃 (奈良先端科学技術大学院大学・バイオサイエンス)
- P013 FBP/SBPase 導入による収量増大に関わる遺伝子群の網羅的探索
 青山泰子¹, 日野賢人², 松川郁子², 藪田行哲², 田茂井政宏^{1,2}, 重岡成^{1,2} (1近畿大・院・バイオ, 2近畿大・農・バイオ)
- P014 RNAi 法によるイネ複数 BE 遺伝子制御
 伊藤端穂¹, Perigio Francisco², 澤田隆行², 中村保典^{1,2} (1秋田県立大学生物資源学部, 2科学技術振興機構・戦略的創造研究推進事業)
- P015 サツマイモのデンプン粒結合型スターチシンターゼ I 遺伝子にみられる多型性
 木村貴志, 斎藤彰 (農研機構・九州沖縄農研センター)
- P016 マイクロアレイを用いたイネ高温登熟における登熟代謝関連遺伝子の網羅的発現解析
 山川博幹, 黒田昌治, 山口武志 (中央農研・北陸研セ)
- P017 クロロフィル *d* オキシゲナーゼの蓄積制御機構に異常のある変異株の解析
 中川原永基¹, 山里明弘^{1,2}, 田中亮一^{1,2}, 田中歩^{1,2} (1北海道大学・低温科学研究所, 2CREST, JST)
- P018 フェオフォルビド *a* の蓄積が誘導する光非依存的な細胞死
 平島真澄^{1,2}, 田中亮一^{1,2}, 田中歩^{1,2} (1北大・低温研, 2CREST, JST)
- P019 緑色硫黄細菌 *Chlorobium tepidum* 由来のメチル基転移酵素 BchU のバクテリオクロロフィル *c* 合成経路における役割
 原田二郎¹, 和田啓², 大角重明¹, 山口瞳², 佐賀佳央³, 新美景子², 大岡宏造², 福山恵一² 他 (1立命館大・理工, 2阪大院・理, 3近畿大・理工)
- P020 緑色硫黄細菌 *Chlorobium tepidum* のゲノム中に存在する 3-ビニルバクテリオクロロフィルドヒドラターゼ (BchF) 相同遺伝子のヘテロな発現による機能解析
 熱田真大¹, 関智之², 伊藤由加³, 後藤高紀³, 小林正美³, 井上和仁^{1,2} (1東京大院・理, 2神奈川大・理, 3筑波大・物質工学系)
- P021 ラン藻におけるニトログナーゼ類似型プロトクロロフィルド還元酵素の生理学的役割

- 小坂和之, 山崎将司, 藤田祐一 (名大院・生命農)
- P022 シアノバクテリアのリコペン・シクラーゼ: 未知の4番目のタイプの存在するか?
高市真一¹, 持丸真里², 増川一³, 近藤久益⁴, 池内昌彦⁴ (1日本医大・生物, 2駒澤大・自然, 3神奈川大・理, 4東大・院総合)
- P023 *Anabaena* sp. PCC 7120 の遺伝子破壊株作成によるカロテノイド合成酵素の機能解析
持丸真里¹, 増川一², 高市真一³ (1駒澤大・自然, 2神奈川大・理, 3日本医大・生物)
- P024 光合成細菌の DMSO 呼吸系のセンサーヒスチジンキナーゼ DmsS のセンシング機能の解析
松崎雅広¹, 伊藤岳¹, 山本勇², 佐藤敏生¹, 高橋陽介¹ (1広島大院・理, 2神戸女子大・家政)
- P025 紅色光合成細菌 *Rubrivivax gelatinosus* の環状カロテノイド蓄積変異株作成とその酸化障害耐性評価
鍋田誠¹, 原田二郎², 高市真一³, 三沢典彦⁴, 永島賢治^{1,5}, 松浦克美^{1,5}, 嶋田敬三^{1,5} (1都立大・理, 2立命館大・理工, 3日本医大・生物, 4海洋バイオテクノロジー研究所, 5首都大・生命科学)
- P026 大腸菌で発現させた緑色硫黄細菌 *Chlorobium tepidum* の鉄硫黄クラスターアッセムブリーファクターの性質
高林佐介, 井上和仁 (神奈川大・理・生物科学)
- P027 シリカメソ多孔体中で機能する光合成反応中心
石坂壮二¹, 小田一平¹, 筒井康隆¹, 出羽真貴子¹, 柴田穰¹, 梶野勉², 福嶋善章², 岩井覚司³ 他 (1名古屋大学理学研究科物質理学専攻, 2豊田中央研究所, 3豊田自動車)
- P028 アポ蛋白質とヘムとの結合によるペルオキシダーゼ活性の再構成を用いた高感度なヘム定量系の開発
増田建¹, 高橋重一² (1東大院・総合文化, 2東邦大院・理)
- P029 ストレスにより誘導されるテトラピロール合成系アイソフォームの発現誘導機構とその生理機能
永井聡¹, 青野光子², 菊田章弘¹, 佐々木結子¹, 太田啓之¹, 高宮建一郎¹, 増田建³ (1東工大院・生命理工, 2国立環境研, 3東大院・総合文化)
- P030 光化学系 II の quality control: *Synechocystis* PCC6803 野生株細胞での光・温度ストレスによる FtsH の蓄積
平元秀樹, 鎌田貴志, 森田典子, 山本泰 (岡山大院・自然科学)
- P031 光阻害回避系の異常が呼吸系におよぼす影響 ~ミトコンドリアは過剰還元力のシンクとして機能するか?~
吉田啓亮¹, 坂本亘², 鹿内利治³, 寺島一郎¹, 野口航¹ (1大阪大・理, 2岡山大・資生研, 3九州大・農)
- P032 ストレス下における AOX の発現・活性化と *in vivo* の生理活性
渡辺千尋, 寺島一郎, 野口航 (大阪大院・理)
- P033 緑藻クラミドモナスの CO₂ 能動輸送は光化学系 II によって駆動される
太西紀和, 小日向務, 福澤秀哉 (京大・院・生命)
- P034 南極氷結湖より採取された緑藻クラミドモナスの光環境適応能力の解析
高橋新一郎¹, Norman P. A. Huner², 皆川純¹ (1北海道大・低温研, 2ウェスタンオンタリオ大)
- P035 塊状サンゴ骨格内に生息する海洋性ラン藻 *Halomicronema* sp.
山崎征太郎, 中村崇, 山崎秀雄 (琉球大・理)
- P036 太平洋型と日本海型ブナにおける光合成電子伝達能の違い
山崎淳也¹, 高橋彩子¹, 園池公毅², 丸田恵美子¹ (1東邦大・理・生物, 2東京大院・新領域)
- P037 ラン藻 *Synechococcus elongatus* PCC 7942 における窒素応答性遺伝子のマイクロアレイ解析
愛知真木子¹, 岩崎秀雄², 近藤孝雄³, 杉田譲⁴, 小俣達男⁵ (1中部大・応用生物, 2早稲田大・理工学術院, 3名古屋大院・生命理, 4名古屋大・遺伝子, 5名古屋大院・生命農)
- P038 ヒメツリガネゴケ硝酸イオン能動輸送体遺伝子群の定量的遺伝子発現解析
辻本良真, 安田恭子, 前田真一, 小俣達男 (名古屋大院・生命農)
- P039 Regulation of the Nitrogenase Genes Expression in Heterocysts of *Anabaena variabilis*
Xiaohui Zhang¹, Hajime Masukawa², Hidehiro Sakurai^{1,3} (1Major in Integrative Biosci. and Biomedical Engineer., Grad. Sch. of SCi. Engineer., Waseda University, 2Dept. of Bio. Sci., Kanagawa University, 3Dept. of Biol., Sch. of Education, Waseda University)
- P040 *Deinococcus radiodurans* 由来 NO 合成酵素遺伝子過剰発現株における NO 応答遺伝子の発現様式
園田雅俊^{1,2}, 伊藤孝浩¹, Werner M. Kaiser³, Juergen Zeier³, 佐藤隆英^{1,2}, 中川弘毅^{1,2} (1千葉大学・大学院自然科学研究科, 2千葉大学・園芸学部, 3Julius-von-Sachs-Institute of Biological Sciences, University of Wuerzburg)
- P041 サツマイモ体内からのエンドファイト *nifH* 遺伝子の検出
太脇良成¹, 寺門純子^{1,2}, 山川博幹¹, 田中福代¹, 米山忠克³, 藤原伸介¹ (1中央農研, 2学振, 3東大・院・農学生命科学)
- P042 マメ科モデル植物ミヤコグサの根粒形成過程で発現誘導される転写因子の機能に関する系統的な解析
浅水恵理香¹, 河内宏², Jillian Perry³, Trevor Wang⁴, Martin Parniske⁵, 中川知己⁶, 川口正代司⁶, 田畑哲之¹ 他 (1かずさ DNA 研・植物遺伝子, 2農業生物資源研, 3Sainsbury Lab., 4John Innes Centre, 5Univ. Munich, 6東京大院・理学系)

発生・分化・成長

- P043 レセプター様キナーゼ (RLKs) 遺伝子破壊株の花粉における表現型解析_花粉発芽阻害と種子の減少について
宮崎さおり, 住川直美, 長谷部光泰 (基礎生物学研究所・生物進化)
- P044 シロイヌナズナ pre-rRNA processing factor 相同遺伝子 AtM532 の特徴付け
浅田正貴¹, Gun-Aajav BAYARMAA², 諸橋賢吾³, 高瀬尚文⁴, 平塚和之¹ (¹ 横浜国立大学大学院環境情報学府, ² モンゴル国立大学, ³ オハイオ州立大, ⁴ 地球環境産業技術研究機構)
- P045 モデル植物系を用いたオルガネラ DNA の母性遺伝に関する研究
松島良¹, 服部千恵子¹, 蘇都莫日根², 坂本亘¹ (¹ 岡山大学・資源生物科学研究所, ² 北京大学・生命科学学院)
- P046 ユーカリ花芽形成に関わる MADS-box 遺伝子の解析
加藤友彦, 島村友絵, 日尾野隆 (王子製紙)
- P047 シロイヌナズナの花成制御因子に関与するリノレン酸は花成決定因子 *APETALA1 (API)* 遺伝子の機能を直接制御するのか?
兒玉なつ美^{1,2}, 小川健一^{1,2}, 柳田元継^{1,2} (¹ 岡山県生物科学総合研究所, ² JST, CREST)
- P048 イネ *Hd3a* 様遺伝子群の開花における発現制御機構の解析
小宮怜奈, 池上颯子, 横井修司, 島本功 (奈良先端大・バイオ)
- P049 イネコアコレクションを用いた開花関連遺伝子の多様性の解明
高橋靖幸, 石川亮, 横井修司, 島本功 (奈良先端大・バイオ)
- P050 トウモロコシの花成を制御する転写因子, *ID1* の転写活性解析
木崎暁子¹, Joseph Colasanti² (¹ 静岡大学理学部, ² Department of Molecular Biology and Genetics, University of Guelph)
- P051 ウキクサの時計関連遺伝子の機能解析法の確立と展望
芹川雅之¹, 三輪久美子¹, 近藤孝男^{1,2}, 小山時隆^{1,2} (¹ 名古屋大学大学院・理, ² CREST/SORST, JST)
- P052 シアノバクテリアの転写システムにおける時間的制御への系統的アプローチ
河崎祐樹, 陸田径典, 伊藤浩史, 近藤孝男, 小山時隆 (名古屋大院・理)
- P053 PCR エラーを利用したシアノバクテリアの時計遺伝子 *kaiC* の突然変異体の表現型と *KaiC* リン酸化リズム
村山依子¹, 今井圭子³, 伊藤浩史¹, 小山時隆^{1,2}, 近藤孝男^{1,2} (¹ 名古屋大学院・理, ² CREST/SORST, JST, ³ 奈良先端大・バイオ)
- P054 *Aux/IAA* 遺伝子の優性突然変異が及ぼす子葉形成異常の特異性
綿引雅昭, 武藤秀樹, 山本興太朗 (北海道大院・理)
- P055 シロイヌナズナの DNA メチル化関連遺伝子破壊株における胚発生関連遺伝子の発現解析
浅川登美子, 菊池彰, 鎌田博 (筑波大・院・生命環境)
- P056 インゲンマメ発芽種子における *DELLA* タンパク質遺伝子発現の解析
山内大輔, 小林正宏, 中井朋則, 久保田康 (兵庫県大院・生命)
- P057 シロイヌナズナの発生・再生過程における *SRD2* 発現と snRNA レベルの変動
大谷美沙都, 杉山宗隆 (東京大・院・理・植物園)
- P058 シロイヌナズナにおいて葉の発生を制御する *AS1* および *AS2* タンパク質の細胞内局在の解析
石川貴章^{1,2}, 町田千代子^{2,3}, 岩川秀和¹, 上野宜久¹, 北倉左恵子³, Semiarti Endang⁴, 町田泰則¹ (¹ 名大院・理・生命理学, ² 中部大・植物バイオ研究センター, ³ 中部大・応用生物, ⁴ ガジャマダ大・生物)
- P059 Genetic and Biochemical Analysis of DRL1 (Elongator-associated Protein) and holo-elongator subunits in Arabidopsis
Kiu-Hyung CHO¹, Hoonsung CHO¹, Sang Eun JUN¹, Young Byung YI¹, Hirokazu TSUKAYA², Gyung-Tae KIM¹ (¹ Faculty of Plant Biotechnology, Dong-A University, Pusan 604-714, Korea, ² National Institute for Basic Biology, Okazaki 444-8585, Japan)
- P060 スギの花芽で発現する MADS-box 遺伝子の機能解析
栗田学¹, 大宮泰徳¹, 渡辺敦史¹, 谷口亨², 坪村美代子¹, 近藤禎二¹ (¹ 林木育種センター, ² 林木育種センター九州育種場)
- P061 葉形態形成における細胞増殖と細胞伸長の調和: 補償作用で見られる過剰な細胞伸長には二つの伸長パターンが関与する
Ali FERJANI¹, 藤倉潮², 堀口吾朗¹, 塚谷裕一^{1,3} (¹ 基生研, ² 総研大, ³ 東大・院・理)
- P062 シロイヌナズナ *BOPI* 遺伝子の機能と葉形態形成の有限性制御
石川直子¹, 塚谷裕一^{1,2} (¹ 基礎生物学研究所, ² 東京大学大学院理学系研究科)
- P063 培地中の糖が葉の発生に及ぼす影響
矢野覚士¹, 塚谷裕一^{1,2} (¹ 基生研, ² 東大院・理)
- P064 シロイヌナズナの葉の形態形成に関わる *asymmetric leaves2* 変異体のエンハンサーのスクリーニング
小島晶子^{1,2}, 松村葉子³, 上野宜久³, 町田泰則³, 町田千代子^{1,2} (¹ 中部大・応用生物, ² CREST, ³ 名大院・理)

- P065 イネにおける葉の向背軸決定機構の解析
山口貴大¹, 塚谷裕一^{1,2} (1 基生研・統合バイオ, 2 東大院・理)
- P066 維管束形成に関与するイネ D 型サイクリン *OsCYCD4;1* の機能解析
中島麻里奈¹, ネオギブルニマ^{1,2}, 中村英光¹, 耳田直純^{1,3}, 田切明美¹, 小野寺治子¹, 土岐精一¹, 河野淳⁴ 他
(1 生物研, 2 ノーステキサス大, 3 農研機構果樹研, 4 東京大学, 5 国際農研)
- P067 イネの変異体を用いた維管束形成機構の解析
坂口潤¹, 澤進一郎¹, 伊藤純一², 福田裕穂¹ (1 東京大・院・理・生物科学, 2 東京大・院・農・生産環境生物学)
- P068 イネアクチベーションタギングにより単離された短粒半わい性変異体 *Sg1* の原因遺伝子の解析
森昌樹, 中村英光, 市川裕章 (農業生物資源研究所)
- P069 サツマイモ塊根中で発現する *Knotted1* 型ホメオボックス遺伝子の解析
田中勝, 中山博貴, 高畑康浩 (農研機構・九沖農研)
- P070 イネの根形成に関与するユビキチンリガーゼ *EL5* の発現特性および機能の解析
小岩井花恵, 中島恵美, 倉野洋子, 中村英光, 市川裕章, 南栄一, 西澤洋子 (農業生物資源研究所)
- P071 顕微 FT-IR によるシロイヌナズナ根毛突然変異体の解析
富永るみ¹, 岩田美根子², 杉山淳司³, 岡田清孝^{1,4}, 和田拓治¹ (1 理研・PSC, 2 かずさ DNA 研, 3 京大・生存圏, 4 京大・院理)
- P072 根毛の形態形成におけるホスファチジルイノシトールリン酸キナーゼ遺伝子 *AtPIP3* の関与
草野博彰^{1,2}, 安田敬子¹, 安喜史織¹, 大橋洋平¹, 島田浩章², 岡穆宏¹, 青山卓史¹ (1 京大化研, 2 東京理大・生物工)
- P073 形態の異なる二層の花被を持つアルストロメリアにおけるクラス B 遺伝子の発現解析
平井雅代¹, 神村太一¹, 中田睦¹, 宋仁子¹, 福田達哉¹, 星野洋一郎², 中野優³, 菅野明¹ (1 東北大院・生命科学, 2 北海道大・北方生物圏フィールド科学センター, 3 新潟大・農)
- P074 キメラリプレッサーを用いたシロイヌナズナ SBP ファミリーの機能解析
四方雅仁^{1,2}, 高木優^{1,2} (1 産総研・ジーン, 2 科学技術振興機構・CREST)
- P075 シロイヌナズナ *corymbosa1* 変異体を用いた花序形態形成機構の解析
山口暢俊¹, 鈴木光宏¹, 深城英弘², 森田 (寺尾) 美代², 田坂昌生², 米田好文¹ (1 東京大院・理, 2 奈良先端大・バイオ)
- P076 花粉表層構造の形成と花粉管伸長におけるシロイヌナズナ *FLAKY POLLEN1* および *SHEPHERD* 遺伝子の機能
鈴木俊哉¹, 西森由佳¹, 中川強², 中村研三¹, 石黒澄衛¹ (1 名大院・生命農, 2 島根大・総科センター)
- P077 シロイヌナズナ花茎伸長欠損 *acaulis1* 表現型の温度・窒素依存的回復
鎌田直子, 鈴木光宏, 米田好文 (東大・院・理)
- P078 CRES-T 法による新規 B3 ファミリー遺伝子の機能解析
池田美穂¹, 高木優^{1,2} (1 産総研, 2 科学技術振興機構・CREST)
- P079 ヒメツリガネゴケ KNOX クラス 2 遺伝子の機能解析
榎原恵子¹, 出口博則¹, 長谷部光泰^{2,3} (1 広島大学院・理, 2 基生研・生物進化, 3 総研大・生命科学)
- P080 シロイヌナズナ孔辺細胞形態構築に関わる *MC79* 受容体キナーゼの解析
大岡登¹, 田中克典², 川向誠², 松田英幸², 中川強¹ (1 島根大・総科センター遺伝子, 2 島根大・生物資源)
- P081 当年生ミズナラ実生の生育条件による葉の老化過程の違い
小野清美, 原登志彦 (北大・低温研)
- P082 開花前に生成するエチレンはムクゲの花の老化時期に影響する
徐相規¹, 白井健二¹, 藤原伸介^{1,2} (1 筑波大・生命環境科学, 2 中央農研センター)
- P083 シロイヌナズナの葉の成熟老化期におけるチラコイド膜微細構造の変化
野末はつみ¹, 大野香織¹, 中西弘充¹, 金子康子², 林田信明¹ (1 信州大・遺伝子, 2 埼玉大・理・生体制御)
- P084 クロロフィル分解過程で働く金属結合物質 (MCS) の精製と構造解析
白井雅敏, 鈴木利幸, 天野豊己, 塩井祐三 (静岡大院・理工・生物)
- P085 シロイヌナズナのプログラム細胞死制御候補因子 *AtILP1/2* の機能解析
小林和¹, 賀屋秀隆², 二瓶晋¹, 前田稔¹, 東克己³, 朽津和幸^{1,2} (1 東京理科大・理工・応用生物科学, 2 東京理科大・ゲノム創薬研究センター, 3 帝京科学大・理工・バイオ)
- P086 タバコ種間雑種幼苗致死における液胞の動態
三野真布, 村田奈智, 伊達修一, 井上雅好 (京都府立大学・院・農)
- P087 タバコ属種間 F₁ 雑種の雑種致死は種により異なるシグナル伝達機構を利用する
庄村幸子, 上田純子, 三坂祐子, 井上雅好, 三野真布 (京都府立大学・院・農)
- P088 MEK 変異体を用いたタバコ雑種致死での MAPK シグナル伝達系の解析
窪田まみ, 野木貴祐, 井上雅好, 三野真布 (京都府立大学・院・農)

- P089 アサの細胞死誘導メカニズムに関する研究
田中由美, 田浦太志, 正山征洋, 森元聡 (九州大院・薬)
- P090 ナタネ葉肉プロトプラストにおけるアポトーシス様プログラム細胞死の誘導とその発現
安田歌織², 加納哲子², 渡邊大輔², 渡邊幸雄¹, 渡辺正巳¹ (1千葉大・園, 2千葉大院・自然科学)
- P091 シロイヌナズナの生育に核小体ヌクレオリンは必須である
小島久恵¹, 鈴木孝征², 佐藤修正³, 加藤友彦³, 田畑哲之³, 中村研三¹ (1名古屋大院・生命農学, 2名古屋大院・理, 3かずさ DNA 研)
- P092 シロイヌナズナの根端成長に対する温度の影響の細胞動力学解析
岩元明敏, 杉山宗隆 (東大・院・理・植物園)
- P093 ブラシノステロイドに応答する新規なリングフィンガータンパク質 (BRR1) 遺伝子の解析
梅田香穂子, 大場利治, 西村真理子, 安藤達哉, 浅田起代蔵, 加藤郁之進 (タカラバイオ株式会社)
- P094 クラスター分析と遺伝学的手法によるイネの草丈制御に関与する染色体領域の解析
廣津直樹, 柏木孝幸, 円由香, 石丸健 (農業生物資源研究所)
- P095 ABC タンパク質 AtPGP4 の機能解析
Diana Santelia, 深尾陽一朗, Enrico Martinoia, Markus Geisler (Basel-Zurich Plant Science Center, Institute of Plant Biology, Molecular Plant Physiology, University of Zurich)
- P096 イネ OsENT2 の生理的役割—サイトカイニン輸送への関与
広瀬直也, 植田庸絵, 小嶋美紀子, 榊原均 (理研, 植物科学研究センター)
- P097 シロイヌナズナにおけるサイトカイニン水酸化酵素遺伝子欠損変異株の解析
武井兼太郎, 榊原均 (理研・植物科学研究センター)
- P098 シロイヌナズナ AP2 転写因子 CHOTTO1 は ABI4 の下流で種子発芽を抑制する
立松圭¹, 山岸和敏¹, 北村さやか¹, Peter McCourt², 神谷勇治¹, 南原英司¹ (1独立行政法人理化学研究所・植物科学研究センター, 2トロント大)
- P099 メロン果実における CM-EIL 遺伝子について
澤木淑子¹, 高橋あゆみ², 黄聖洙¹, 水野真二¹, 横塚真依子¹, 園田雅俊¹, 中川弘毅², 佐藤隆英¹ (1千葉大院自然科学, 2千葉大院園芸)
- P100 チロシン硫酸化ペプチド選択的濃縮システムの開発とシロイヌナズナにおける新規硫酸化ペプチドの探索
天野ゆかり, 篠原秀文, 坂神洋次, 松林嘉克 (名大院・生命農)
- P101 シロイヌナズナ *RETINOBLASTOMA-RELATED PROTEIN 1* の機能解析
平野博人¹, 河村和恵¹, 新名惇彦¹, 関根政美² (1奈良先端大・バイオ, 2石川県立大・生産科学)
- P102 シロイヌナズナの ILP5 はエンドリデュプリケーションを正に制御する
高橋直紀^{1,2}, 吉積毅¹, 中澤美紀¹, 市川尚斉¹, 近藤陽一¹, 石川明苗¹, 川島美香¹, 島田浩章² 他 (1理研 GSC・ゲノム機能情報研究グループ, 2東理大院・生物工)
- P103 シロイヌナズナの新規な転写抑制因子である ILP1 は *CyclinA2* の転写を抑制することでエンドリデュプリケーションを促進する
吉積毅¹, 津本裕子^{1,2}, 滝口朋子¹, 永田典子³, 山本義治⁴, 川島美香¹, 市川尚斉¹, 中澤美紀¹ 他 (1理研・ゲノムセンター・植物変異探索研究, 2お茶の水女子大院・人間環境科学, 3日本女子大・物質生物, 4理研・フロンティア研究システム)
- P104 シロイヌナズナ DNA 複製開始因子 AtORC1a および AtORC1b の機能解析
金鍾明¹, 黒森崇¹, 藤泰子¹, 平山隆志², 関原明^{1,3}, 篠崎一雄⁴ (1理研 GSC 植物ゲノム機能情報研究チーム, 2横浜市大院 環境分子生物, 3理研 植物分子, 4理研 PSC)
- P105 感染シグナル (エリクター) により誘導されるタバコ培養細胞 BY-2 の細胞周期 G2 期停止機構の解析
大野良子¹, 門田康弘¹, 藤井伸介¹, 関根政実², 梅田正明³, 朽津和幸^{1,4,5} (1東京理科大・理工, 2石川県立大・生物資源環境, 3東京大・分生研, 4東京理科大・ゲノムセンター, 5CREST, JST)
- P106 CHUP1 は葉緑体上で機能する
及川和聡¹, 小倉康裕¹, 中井正人², 高橋文雄¹, 笠原賢洋³, 加川貴俊⁴, 和田正三¹ (1基礎生物学研究所・光情報制御, 2大阪大学・蛋白研, 3立命館大学・理工, 4筑波大学・生命環境科学)
- P107 葉緑体シグマ因子二重変異体 (*sig2sig6*) はアルビノになる
石崎陽子¹, 尾園加奈子¹, 竹中智佳子¹, 角山雄一², 中平洋一¹, 田中寛³, 金丸吾吾⁴, 華岡光正³ 他 (1京府大・人環, 2京大・RI センター, 3東大・分生研, 4神戸大院・自然科学)
- P108 タバコ染色体ゲノムの形態学的研究
嶋村正樹, 富澤健一 (RITE・植物研)

- P109 ジビニルクロロフィルを蓄積する *pcb2* 変異が光合成とグラナ形成に与える影響
中西弘充¹, 野末はつみ¹, 金子康子², 園池公毅³, 橋本昌征¹, 田口悟朗⁴, 林田信明¹ (¹信州大・遺伝子, ²埼玉大・理・生体制御, ³東大院・新領域・先端生命, ⁴信州大・繊維・応生)
- P110 架橋法による葉緑体への蛋白質輸送における初期膜透過中間体の解析
井上仁志, 秋田充 (愛媛大・農)
- P111 RNAiによるシロイヌナズナの葉緑体局在型フェージタイプ RNA ポリメラーゼ遺伝子の発現抑制
壁谷如洋^{1,2}, 杉田護², 佐藤直樹¹ (¹東大・総合文化, ²名大・遺伝子)
- P112 ヒメツリガネゴケに保存された細菌のペプチドグリカン合成に関わる *MurE*, *Pbp* 遺伝子の機能解析
武智克彰¹, 池上亮太¹, 佐藤博¹, 町田真理子¹, 滝尾進², 長谷部光泰³, 高野博嘉¹ (¹熊本大学・理, ²熊本大学・沿岸域研究センター, ³基礎生物学研究所)
- P113 *Cyanidioschyzon merolae* 10D における形質転換系の開発
大沼みお¹, 横山敬士², 井上貴之², 関根靖彦², 田中寛¹ (¹東京大・分生研, ²立教大・理・生命)
- P114 原始紅藻 *Cyanidioschyzon merolae* における窒素同化関連遺伝子の発現調節機構の解析
今村壮輔¹, 寺下優¹, 黒岩常祥², 田中寛¹ (¹東大・分生研, ²立教大・理)
- P115 紅藻 *Cyanidioschyzon merolae* における細胞周期とオルガネラ DNA 複製の同調の解析
小林勇気, 兼崎友, 田中寛 (東京大学分子細胞生物学研究所)
- P116 原始紅藻 *Cyanidioschyzon merolae* における葉緑体遺伝子の転写制御の解析
川上隆之, 華岡光正, 蓑田歩, 田中寛 (東大・分生研)
- P117 シロイヌナズナにおける BiP の機能解析
丸山大輔, 川鍋光慶, 小池仁, 遠藤斗志也, 西川周一 (名大院・理)
- P118 小胞輸送から見た植物細胞の極性確立機構の解析
江波和彦¹, 植村知博^{2,3}, 佐藤雅彦¹ (¹京都府立大・院・人間環境科学, ²理研・生体膜, ³東京大・院・理)
- P119 ニンジンの内部繊維系に存在するタンパク質について
松本泰子¹, 野村港二¹, 増田清², 井上正保³ (¹筑波大学・バイシス, ²北大院・農, ³秋田県立大・生物資源)
- P120 シロイヌナズナ微小管重合核形成複合体の変異は右巻きねじれ表現型を与える
中村匡良, 橋本隆 (奈良先端大・バイオ)
- P121 植物微小管の配向制御に関わる *SPIRAL2* タンパク質の解析
矢尾真樹, 庄司翼, 橋本隆 (奈良先端大・バイオ)
- P122 微小管機能に関与するフォスファターゼ *PHS1* の解析
加藤壮英, Jaromir Pytela, 直井国子, 橋本隆 (奈良先端大・バイオ)
- P123 微小管プラス端集積因子 *AtEB1* の機能解析
阿部竜也, 橋本隆 (奈良先端大・バイオ)
- P124 タバコ BY2 細胞 β -チューブリン *Cva* の翻訳後修飾
岡村昭治, 加古亜由美, 小島絵美, 川田恭久, 今中常雄 (富山大・薬)
- P125 タバコ BY-2 細胞における GFP-TMBP200 融合タンパク質の発現
安原裕紀, 大江祐樹 (関西大・工・生物工)
- P126 アオミドロにおけるセルロース微繊維配向の表層微小管による制御
吉田勝久¹, 堀川祥生², 伊東隆夫², 新免輝男¹ (¹兵庫県立大・院・生命理, ²京大・生存研)
- P127 二次壁肥厚を制御する転写因子の機能解析
光田展隆^{1,2}, 岩瀬哲¹, 関原明³, 篠崎一雄^{2,3}, 高木優^{1,2} (¹産業技術総合研究所, ²科学技術振興機構, ³理化学研究所)
- P128 管状要素分化に関与するポリガラクトシロナーゼ *ZePG2* の発現と局在解析
小澤靖子, 福田裕穂 (東大院・理・生物科学)
- P129 免疫攪乱による細胞外分泌因子の機能解析
篠原直貴¹, 藤田美樹², 福田裕穂¹ (¹東大・院・理, ²ブリティッシュコロンビア大)
- P130 遠心過重力環境下におけるアズキ上胚軸のキシログルカン代謝の変化
曾我康一¹, 新井邦典¹, 若林和幸¹, 神阪盛一郎², 保尊隆享¹ (¹大阪市大院・理, ²富山大・理)
- P131 シロイヌナズナ *CMP-KDO* 合成酵素のキャラクタリゼーション
小林優, 高津渚, 田島洋, 間藤徹 (京大院・農)

代謝・輸送

- P132 ミズバショウ緑葉にみられるプロテアーゼの性質
井上弘¹, 蒲池浩之¹, 吉田祐介¹, 水島雄太¹, 星名哲² (1富山大・理, 2金沢大院・自然研・生命)
- P133 オオムギ葉における SDS 依存性プロテアーゼの精製と性質解析
渡邊靖, 天野豊己, 塩井祐三 (静岡大・理)
- P134 ホウレンソウのセネセンスで活性化されるシステインプロテアーゼの分子クローニング
田島貴之, 天野豊己, 藤原健智, 塩井祐三 (静岡大・理)
- P135 イネペプチド鎖伸長因子 EF-1 γ の機能
助川絵理, 江尻慎一郎, 木藤新一郎 (岩手大・農・寒冷バイオ)
- P136 発芽期や登熟期の種子で高発現するオオムギタンパク質 (P23k) の細胞内局在
及川愛, 木藤新一郎 (岩手大・農・寒冷バイオ)
- P137 シロイヌナズナの塩化メチル合成酵素遺伝子の機能解析
永利友佳理¹, 石原晋次², 中村達夫¹ (1横浜国大・院・環境情報, 2横浜国大・機器分析センター)
- P138 ゼニゴケ由来 Δ -6 脂肪酸不飽和化酵素遺伝子を過剰発現させた形質転換イネにおける γ リノレン酸の蓄積
濱田達朗¹, 大谷基泰¹, 金善衡¹, 内田英伸¹, 梶川昌孝², 大山莞爾¹, 島田多喜子¹ (1石川県立大・資源研, 2奈良先端大・バイオ)
- P139 植物ステロール C-22 位不飽和化酵素 (CYP710A) の同定と酵素学的解析
青木望¹, 森川智美², 渡辺文太¹, 齋藤茂樹¹, 太田大策², 坂田完三¹, 水谷正治¹ (1京大・化研, 2大阪府大院・農学生命)
- P140 シロイヌナズナのスフィンゴシン-1-リン酸リアーゼ遺伝子の機能解析
岩本照子, 西川正洋, 細川謙太, 中川範子, 今井博之 (甲南大・院・自然科学)
- P141 シロイヌナズナのスフィンゴシン-1-リン酸ホスファターゼ遺伝子の機能解析
中川範子, 岩本照子, 今井博之 (甲南大・院・自然科学)
- P142 Xylogen の細胞内・細胞間輸送機構の解析
本瀬宏康¹, 楯本悟史², 渡辺雄一郎¹, 杉山宗隆³, 福田裕穂², ☆^{nil} (1東大・総合文化研究科, 2東大院・理, 3東大院・理・植物園)
- P143 *Arabidopsis thaliana* における COPII 小胞輸送系構成因子 (ATSEC31, ATSEC13, ATSEC23, ATSEC24) の解析
且野武志¹, 田中克典², 川向誠², 松田英幸², 中川強¹ (1島根大・総科センター遺伝子, 2島根大・生物資源)
- P144 種子貯蔵タンパク質の輸送異常を示すシロイヌナズナ変異体の分類
高橋英之, 嶋田知生, 西村いくこ (京大院・理)
- P145 緑藻 *Botryococcus braunii* BOT-70 株の炭化水素合成系の特性
池上有希子¹, 田野井孝子², 河地正伸², 加藤美砂子¹ (1お茶の水大院・人間文化, 2国環研・生物圏環境)
- P146 タバコにおけるニコチン輸送に関与する MATE 型トランスポーターの機能解析
稲井康二¹, 佐藤康隆¹, 後藤友美², 豊岡公徳², 松岡健², 橋本隆¹ (1奈良先端大・バイオ, 2理研・植物センター)
- P147 ‘ラングプールライム’ と ‘クサイライム’ のカロテノイド及び ABA 生合成の比較
中嶋直子¹, 國賀武¹, 加藤雅也¹, 松本光¹, 生駒吉識¹, 平館俊太郎², 藤井義晴², 吉田俊雄¹ (1果樹研究所, 2農業環境技術研究所)
- P148 シロイヌナズナにおけるアントシアニンアシル基転移酵素遺伝子の機能解析
西山泰孝^{1,2}, 峠隆之², 田中良和³, 田口悟朗⁴, Christine Fuell⁵, Anthony Michael⁵, 北山雅彦¹, 山崎真巳² 他 (1愛媛女子短期大, 2千葉大院・薬, 3サントリー・先進技術研, 4信州大・繊維・応生科, 5Institute of Food Research, 6CREST/JST)
- P149 ポリアシル化アントシアニン作出に必要なアシル基転移酵素について
水谷正子, 勝元幸久, 福井祐子, 戸上純一, 中村典子, 奥原宏明, 田中良和 (サントリー (株))
- P150 アカジソ特異的新規 bHLH について
堂本太一¹, 柴田雅久¹, 西山泰孝^{1,2}, 斉藤和季¹, 山崎真巳¹ (1千葉大院・薬, 2愛媛女子短期大学)
- P151 ダツタンソバ子葉生育過程における ルチン含量, ルチン分解活性の消長
鈴木達郎, 金善州, 瀧川重信, 山内宏昭, 橋本直人, 齋藤勝一, 本田裕, 六笠裕治 (北海道農業研究センター)
- P152 シロイヌナズナのスコポレチン配糖化酵素
甲斐光輔, 清水文一, 山口晃, 水谷正治, 坂田完三 (京大・化研)
- P153 サツマイモ培養細胞のクロロゲン酸生合成に関与する 2 つのフェニルプロパノイド経路とその意義
市川佳伸, 林健一, 野川優洋, 小島峯雄, 野末雅之 (信州大・繊維)
- P154 クマリン類縁体生合成に関与するメチル化酵素

- 甲斐光輔, 清水文一, 川村直裕, 山口晃, 水谷正治, 坂田完三 (京大・化研)
- P155 暗黒条件下で誘導させるシコニン生合成遺伝子の同定と機能解析
山本恭子¹, 矢野真理子², 水戸光司¹, 佐々木佳菜子¹, 小原一朗¹, 鈴木秀幸³, 柴田大輔³, 佐藤文彦²他 (1京大・生存研, 2京大院・生命, 3かずさDNA研)
- P156 石油植物ユーフォルビアのステロール合成遺伝子のクローニングと遺伝子導入
内田英伸, 竹村美保, 中谷内修, 大山莞爾 (石川県大・資源研)
- P157 ショ糖飢餓条件下に置かれたタバコ培養細胞で起こる正味のリン脂質分解における自食作用の関与
井上悠子¹, 森安裕二² (1静岡県立大・院・生活健康, 2静岡県立大・食品栄養)
- P158 シロイヌナズナの硫酸イオントランスポーター SULTR3;4 の機能解析
吉本尚子¹, 渡部 (高橋) 晶子¹, 片岡達彦¹, 中村有美子¹, 斉藤和季^{1,2}, 高橋秀樹¹ (1理研・植物科学研究センター, 2千葉大院・薬)
- P159 硫黄欠乏により発現誘導されるシロイヌナズナ膜局在タンパク質の機能解析
片岡達彦¹, 林尚美¹, 井上恵理¹, 斉藤和季^{1,2}, 高橋秀樹¹ (1理研・植物科学研究センター, 2千葉大院・薬)
- P160 オオムギ硝酸トランスポーターは根の Ca²⁺ 依存性リン酸化酵素でリン酸化される
石川伸二¹, 箕浦互², 伊藤由佳², 大竹憲邦², 大山卓爾², 末吉邦² (1新潟大・院, 2新潟大・農)
- P161 オオムギの液胞膜 H⁺ ポンプと (Na⁺, K⁺)/H⁺ アンチポーター遺伝子の発現比較
福田篤徳, 中村敦子, 田中喜之 (独) 生物研)
- P162 イネ Cation/H⁺ 対向輸送体ファミリーの発現プロファイルと酵母異種発現系を用いた機能解析
神谷岳洋, 赤堀太朗, 前島正義 (名大院・生命農)
- P163 イネ Cation/H⁺ 対向輸送体 (OsCAX3) の細胞内局在と発現部位の同定
太内雄矢¹, 神谷岳洋¹, 芦刈基行², 前島正義¹ (1名大院・生命農, 2名大・生物機能)
- P164 シロイヌナズナの II 型 H⁺-ピロホスファターゼの生化学的解析: 細胞内局在と存在量
瀬上紹嗣, 中西洋一, 前島正義 (名大院・生命農)
- P165 イネの K⁺ チャネル遺伝子の発現解析
岩崎郁子¹, 小八重善裕², 中西洋一², 前島正義², 真崎聡³, 北川良親¹ (1秋田県立大・生物資源, 2名大院・生命農, 3秋田県農試・作物部)
- P166 シヤジクモ類の機械刺激感受性カルシウムチャネルに膜の伸展が与える影響
金子智之¹, 岩淵功誠¹, 菊山宗弘^{1,2} (1新潟大・院・自然科学, 2新潟大・理)
- P167 シロイヌナズナの ABC タンパク質 AtPGP21 の発現および機能解析
紙本宜久¹, 寺坂和祥², 濱本正文¹, 矢崎一史¹ (1京都大学・生存研, 2名市大院・薬)
- P168 ミヤコグサ ABC 蛋白質 LjPDR12 の発現解析
杉山暁史¹, 土反伸和¹, 佐藤修正², 田畑哲之², 矢崎一史¹ (1京都大・生存研, 2かずさDNA研)
- P169 鉄の吸収・転流機構を強化した高鉄含有米の創製
増田寛志¹, 小林高範^{1,2}, 石丸泰寛¹, 高橋美智子¹, 中西啓二¹, 吉原利一³, 高岩文雄⁴, 森敏¹他 (1東京大学農学部, 2CREST, 3電力中央研究所, 4農業生物資源研究所)
- P170 シロイヌナズナの NIP のホウ素輸送能と植物におけるホウ素輸送における役割
田中真幸¹, 高野順平¹, 藤原徹^{1,2} (1東京大学生物生産工学研究センター, 2PRESTJST)
- P171 セイヨウナシからの糖アルコール輸送体ホモログのクローニングと解析
気多澄江, 山木昭平, 山田邦夫, 白武勝裕 (名大院・生命農)
- P172 炭素代謝, 窒素代謝および還元力輸送に関わるプラスチド局在 2-オキシグルタル酸/リンゴ酸輸送体
吉川那々子¹, 長崎順子¹, 谷口光隆¹, 富田佑輔¹, 川崎通夫¹, 三宅博¹, 杉山達夫² (1名大院・生命農, 2中部大・生命健康科学研)
- P173 アクアポリン分子の基質輸送に伴う分子骨格構造の変動
柴坂三根去, 且原真木 (岡山山大・資生研)
- P174 イネアクアポリン分子種の発現特性及び水透過活性の解析
桜井淳子^{1,3}, 水谷政博², 石川文義², 村井麻理¹, 上村松生³, 前島正義² (1東北農業研究センター, 2名大院・生命農, 3岩大・農・寒冷バイオ)
- P175 水チャネルによる細胞膜と液胞膜の水透過率調節とその生理的意義
桑形恒男¹, 村井麻理², 桜井淳子² (1農環研, 2東北農研)

環境応答・ストレス応答

- P176 苔類ゼニゴケにおけるフィトクロムと光形態形成の解析
片岡秀夫, 村本拓也, 大和勝幸, 河内孝之 (京大院・生命)
- P177 ホウライシダ *Phytochrome3LOV2* ドメインにおける光誘起構造変化の水和量依存性
山本渥史¹, 岩田達也², 徳富哲³, 神取秀樹^{1,2} (1名工大・工, 2名工大・工, 3大阪府大院・理)
- P178 ホウライシダ仮根細胞における負の光屈性
坪井秀憲^{1,2}, 和田正三² (1首都大・院理, 2基生研・光情報)
- P179 *phyB N-terminal domain signaling (pns)* 変異体のスクリーニングと解析
小塚俊明¹, 松下智直², 岡義人³, 長谷あきら¹ (1京大院・理, 2UCLA, 3生物研・生理機能)
- P180 イネ *phytochrome* 突然変異体の *microarray* による網羅的解析
清田誠一郎, 謝先芝, 高野誠 (生物研・環境ストレス)
- P181 イネ幼植物体の種子根生育におけるフィトクロムの作用
清水久代¹, 七夕高也¹, 謝先芝², 稲垣言要², 高野誠², 篠村知子¹ (1日立製作所中央研究所, 2農業生物資源研究所)
- P182 イネの光中断における光質とフィトクロムの役割
石川亮¹, 篠村知子², 七夕高也², 清水久代², 稲垣言要³, 高野誠³, 島本功¹ (1奈良先端大・バイオ, 2(株)日立製作所, 3農業生物資源研究所)
- P183 クリプトクロムとの相互作用におけるフィトクロム B C 末端ドメインの機能解析
宇佐見健, 松下智直, 望月伸悦, 鈴木友美, 長谷あきら (京大院・理・植物)
- P184 イネの形態形成反応におけるクリプトクロムの機能解析
廣瀬文昭^{1,2}, 島田浩章¹, 高野誠² (1東理大・基礎工, 2生物研・生理機能)
- P185 青色光に依存したインゲンマメの葉の運動はフォトトロピンによって制御される
井上晋一郎, 木下俊則, 島崎研一郎 (九州大・院理・生物科学)
- P186 孔辺細胞青色光情報伝達におけるプロテインホスファターゼ 1 の関与
武宮淳史, 木下俊則, 浅沼三和子, 島崎研一郎 (九州大・院理・生物科学)
- P187 気孔における CO₂ 応答に関与するタンパクキナーゼ HT1 の解析
橋本美海¹, 衿宜淳太郎¹, Jared Young², Julian Schroeder², 射場厚¹ (1九大・院・理・生物科学, 2Div. Biol., California Univ.)
- P188 光屈性反応に伴うトウモロコシ幼葉鞘の成長抑制機構の解明
Rifat Jabeen¹, 山田小須弥¹, 長谷川剛¹, 南栄一², 繁森英幸¹, 長谷川宏司¹ (1筑波大院・生命環境, 2農業生物資源研究所)
- P189 ホウレンソウ葉肉細胞における葉緑体逃避運動へのアクトミオシン系の関与
宮脇奈那, 熊谷智明, 高木慎吾 (大阪大院・理)
- P190 *Arabidopsis thaliana* における葉緑体 RNA ポリメラーゼ σ 因子群の光誘導発現挙動
望月堂照, 齋藤由貴子, 竹中展宏, 恩田弥生, 豊島喜則 (関学理工)
- P191 青色光センサー蛋白質 PixD の光反応機構: フラビン近傍チロシンを含む水素結合ネットワークの変化
高橋亮太¹, 鈴木博行¹, 岡島公司², 中村寛夫^{3,4}, 池内昌彦², 野口巧¹ (1筑波大・数理物質科学, 2東大院・総文, 3理研・播磨研究所, 4横浜市・国際総合科)
- P192 *Synechocystis* sp. PCC 6803 において光応答性の遺伝子発現に関わる転写因子の探索
片山光徳, 池内昌彦 (東大・院・総合文化)
- P193 異なる光質下における茎表皮の細胞伸長と細胞分裂の差違
平井正良, 雨木若慶 (東京農大院・農)
- P194 全寄生植物ヤセウツボの赤色/遠赤色光応答
岡澤敦司, 和田悠, Chitra Trakulnamsai, 福崎英一郎, 小林昭雄 (阪大院・工)
- P195 光とオーキシンに反応するレポーター遺伝子の発現に異常をきたすシロイヌナズナの *reg1*, *rig1* 突然変異体の解析
田中慎一郎, 長谷あきら (京都大・理)
- P196 トマト芽生えの緑化過程で起こる光応答フック巻き込み反応とその意義
七條千津子¹, 高橋美貴², 永利友佳理³, 鶴見誠二⁴, 田中修⁵, 橋本徹⁶ (1神戸大・理, 2神戸大院・自然科学, 3神戸大・発達, 4神戸大・研究基盤センター, 5甲南大・理工, 6魚崎生科研)
- P197 樹木の幹は光屈性により能動的に屈曲する: 屈曲機構としてのあて材形成と光感受部位
松崎潤, 益守真也, 丹下健 (東大院・農)
- P198 弱光下における C₄ 光合成効率: CO₂ の漏れと *in vivo* の C₄ 光合成酵素活性との関係
田副雄士, 野口航, 寺島一郎 (大阪大院・理・生物)

- P199 B領域紫外線によるキュウリ CPD 光回復酵素遺伝子の転写誘導に関する研究
五百城幹英^{1,2}, 中嶋信美², 玉置雅紀², 馳澤盛一郎¹, 近藤矩朗¹ (1 東大院・理, 2 国環研)
- P200 UV-B に超耐性を示す *uvi4* 変異体の解析と遺伝子の単離
長谷純宏¹, Khuat Huu Trung^{1,2}, 松永司³, 田中淳¹ (1 日本原子力研究開発機構, 2 Agricultural Genetics Institute, 3 金沢大学大学院自然科学研究科)
- P201 シロイヌナズナ AtREV1 タンパク質のポリメラーゼ活性
高橋真哉¹, 坂本綾子¹, 清水喜久雄², 田中淳¹ (1 独立行政法人日本原子力研究開発機構・バイオ応用技術研究ユニット, 2 大阪大学・ラジオアイソトープ総合センター)
- P202 サング共生藻における強光阻害と海面集光の影響
中村崇, 山崎秀雄 (琉球大・理)
- P203 強光順化過程におけるシロイヌナズナ光独立栄養培養細胞の光合成機能と色素タンパク質複合体の変化
竹田恵美¹, 津田貴子^{2,3}, 瀧藤尊子², 榎本千乃² (1 大阪府立大院・理, 2 大阪女子大・理, 3 奈良先端大院・バイオ)
- P204 ペチュニア葉緑体における強光適応過程にともなう集光性色素タンパク質複合体の変化
桂ひとみ¹, 辻容子¹, 竹田恵美² (1 大阪女子大・理, 2 大阪府立大・理)
- P205 環境ストレス誘導性遺伝子の発現誘導に関与する転写因子 *OsDREB1F* の機能解析
伊藤隆^{1,2}, 伊藤裕介², 圓山恭之進², 平津圭一郎^{3,4}, 高木優^{3,4}, 篠崎一雄^{4,5}, 篠崎和子^{1,2,4} (1 東大院・農学生命科学, 2 国際農研・生物資源, 3 産総研・ジーン, 4 JST・CREST, 5 理研・PSC)
- P206 シロイヌナズナのマクロアレイを用いた傷による初期応答遺伝子の発現解析
曾我部祐介¹, 中野年継², 進士秀明², 鈴木馨², 山口和男¹, 西内巧¹ (1 金沢大・学際センター・ゲノム機能, 2 産総研・生物機能工学・分子細胞育種)
- P207 シロイヌナズナ *TSAI* および *TSAI-like* 遺伝子の傷害とジャスモン酸への応答
稲垣宗一¹, 社本将利¹, 鈴木孝征², 森上敦³, 中村研三¹ (1 名古屋大院・生命農, 2 名古屋大院・理, 3 名城大・農)
- P208 シロイヌナズナ細胞死突然変異 *len3* における細胞死発現機構の解析
石川敦司¹, 木村有里¹, 安田美智子², 仲下英雄², 吉田茂男³ (1 福井県大・生資, 2 理研中央研, 3 理研 PSC)
- P209 シロイヌナズナにおける gain-of-function 型細胞死形質変異体の解析
加藤航¹, 姚善国¹, 筒井友和¹, 園田裕¹, 市川尚齊², 中澤美紀², 藤田美紀², 関原明²他 (1 北大院・理, 2 理研・GSC, 3 理研・PSC)
- P210 アブラナ科野菜炭炭そ病菌に対するシロイヌナズナ *R* 遺伝子の探索と防御応答機構の解明
那須菜摘女¹, 鳴坂真理¹, 久保康之², 井内聖³, 安部洋³, 小林正智³, 関原明^{4,5}, 篠崎一雄⁶他 (1 東京学芸大・自然, 2 京府大・農, 3 理研 BRC, 4 理研 GSC, 5 理研・植物分子, 6 理研 PSC)
- P211 ジャスモン酸およびエチレン非応答性の傷害誘導性タバコペルオキシダーゼ *tpoxNI* 遺伝子のプロモーター解析
佐々木克友^{1,2}, 瀬尾茂美^{1,2}, 光原一朗^{1,2}, 伊藤浩之³, 松井博和³, 大橋祐子^{1,2} (1 農業生物資源研究所, 2 生研機構, 3 北大院・農)
- P212 *Ri-ags* 遺伝子プロモーターの傷害応答性領域に結合する因子の解析
柏原俊彦, 猪口雅彦, 近藤弘清 (岡山理大・理・生化)
- P213 タバコのウイルス感染に伴う過敏感細胞死・防御応答における calmodulin アイソフォームの機能解析
刈田英利^{1,2,3}, 山川博幹^{2,3}, 加藤新平², 光原一朗^{2,3}, 朽津和幸¹, 大橋祐子^{2,3} (1 東京理科大院・理工, 2 農業生物資源研, 3 PROBRAIN)
- P214 Interaction between ATPase associated with various cellular activities (AAA) protein and small G-protein, ARF in tobacco plants
Mi hyun Lee, Hiroshi Yoda, Hiroshi Sano (Laboratory of Plant Molecular Breeding, Research and Education Center for Genetic Information, Nara Institute of Science and Technology (NAIST))
- P215 イネ耐病性シグナリングにおける脂質ラフト領域のプロテオーム解析
藤原正幸, 平塚実里, 川崎努, 島本功 (奈良先端大・バイオ)
- P216 イネの培養細胞におけるイモチ病菌由来エリシター誘導性の活性酸素生成及び Ca^{2+} 流入
廣野学¹, 古市卓也², 于雅薇¹, 角野貴志¹, 林村¹, 岩田道顕³, 梅村賢司³, 河野智謙¹ (1 北九州市大・院・国際環境工, 2 名古屋大・院医, 3 明治製菓)
- P217 ジャスモン酸欠損イネを用いたイモチ病菌抵抗性の解析
屋良朝紀¹, 服部泰之¹, 八丈野孝¹, 長谷川守文², 瀬尾茂美³, 楠見健介¹, 射場厚¹ (1 九大・院・理・生物, 2 茨城大学・農, 3 生物研)
- P218 耐病性シグナルの負の制御因子であるイネ OsPti1a と相互作用するタンパクの機能解析
山崎宗郎, 高橋章, Ganesh Kumar Agrawal, 宮尾安藝雄, 廣近洋彦 (生物研・分子遺伝 G)
- P219 mALS ベクターカセットを用いた RIP 遺伝子導入イネの作出と病害抵抗性評価

- 青木秀之¹, 山元剛¹, 森浩一², 松村葉子³, 平八重一之¹, 矢頭治¹ (1中央農研・北陸研究センター, 2奈良先端大, 3名古屋大)
- P220 オキソフトジエン酸合成能を欠損させた形質転換イネの作成
服部泰之¹, 屋良朝紀¹, 八丈野孝¹, 長谷川守文², 楠見健介¹, 射場厚¹ (1九州大・院・理・生物科学, 2茨城大・農)
- P221 ブラシノステロイドを介して誘導される植物の病害抵抗性におけるプライミング機構の解析
安田美智子^{1,2}, 吉田茂男³, 工藤俊章¹, 仲下英雄¹ (1理研・中央研, 2前川製作所, 3理研・PSC)
- P222 Phytochromes are possibly involved in regulating expression of pathogenesis-related protein genes in rice
Xianzhi Xie, Makoto Takano (National Institute of Agrobiological Sciences)
- P223 イネ擬似病斑形成 *spl* (spotted leaf) 変異の活性酸素生成への関与
小城香織¹, 八丈野孝¹, 松村英生², 藤澤志津子², 寺内良平², 楠見健介¹, 射場厚¹ (1九州大学大学院・理・生物, 2岩手生物工学研究センター)
- P224 イネとイネいもち病菌相互作用における活性酸素の生成と消長
田部茂¹, 林長生¹, 南尚子¹, 本田亜利紗¹, 渋谷直人², 賀来華江², 山根久和³, 南栄一¹ (1農業生物資源研究所, 2明治大, 3東京大)
- P225 イネの感染防御応答シグナル伝達系における電位依存性 Ca²⁺チャネル OsTPC1 の機能～機能破壊株を用いた遺伝子発現のトランスクリプトーム解析～
能鹿島史司¹, 来須孝光^{1,2}, 杉山淑美¹, 岩崎洋平¹, 宮尾安藝雄³, 廣近洋彦³, 朽津和幸^{1,2,4} (1東京理科大・理工, 2CREST JST, 3農業生物資源研・分子遺伝, 4東京理科大・ゲノムセンター・細胞シグナル制御)
- P226 シロイヌナズナ培養細胞における PAMPs 認識と防御応答
宮彩子, 矢元奈津子, 出崎能丈, 賀来華江, 渋谷直人 (明治大・農・生命科学)
- P227 植物や菌類に広く分布する高分子プラスミド様 2本鎖 RNA (Endornavirus)
福原敏行, 青木菜々子, 保立峻介, 結城千洋, 山本奈津子, 森山裕充 (東京農工大・農)
- P228 トマト DNA アレイフィルターを用いたナス科植物病害抵抗性反応の解析
岩城俊雄¹, 津金胤昭², 柴田大輔³, 太田大策¹, 和田野見¹ (1大阪府大・生命環境, 2千葉県農業総合研究センター, 3かずさ DNA 研究所)
- P229 アクティブシオンタギングによる新規な共生窒素固定根粒形成遺伝子単離の試み
前田大輔¹, 奥迫安弘¹, 中森一樹¹, 馬場真里¹, 川口正代司², 畑信吾¹ (1京大院・生命, 2東大院・理)
- P230 ミヤコグサ根粒で発現する新規 RING-finger protein 遺伝子 (LjnsRING) の解析
下村憲司朗¹, 東江美加², 河内宏¹, 田島茂行² (1農業生物資源研究所・生理機能部, 2香川大学・農)
- P231 A Novel Fix⁻ Symbiotic Mutant of *Lotus japonicus*, *Ljsym105*, Shows Impaired Development and Premature Deterioration of Nodule Infected Cells and Symbiosomes
Md. Shakhawat Hossain^{1,2}, Yosuke Umehara^{1,2}, Shusei Sato³, Takakazu Kaneko³, Satoshi Tabata³, Hiroshi Kouchi^{1,2} (1National Institute of Agrobiological Sciences (NIAS), 2JST-CREST, 3Kazusa DNA Research Institute)
- P232 Laser Microdissection を用いたイネ子葉鞘特異的発現遺伝子の解析
雑賀啓明¹, 鈴木一正¹, 松村英生², 高野哲夫³, 西澤直子^{1,4}, 堤伸浩¹, 中園幹生¹ (1東大院・農学生命科学, 2財団法人岩手生物工学センター, 3東大アジアセンター, 4CREST)
- P233 シロイヌナズナ AtREV1 タンパク質のポリメラーゼ活性
高橋真哉¹, 坂本綾子¹, 清水喜久雄², 田中淳¹ (1独立行政法人日本原子力研究開発機構・量子ビーム遺伝子資源研究グループ, 2大阪大学・ラジオアイソトープ総合センター)
- P234 タバコ MAP キナーゼ, NtMPK4 の特性解析
五味剣二^{1,4}, 小川大輔^{2,3}, 加藤新平¹, 鎌田博², 中嶋信美³, 佐治光³, 大橋祐子^{1,4}, 瀬尾茂美^{1,4} (1農生資研, 2筑波大, 3国立環境研, 4PROBRAIN)
- P235 高等植物における遺伝子突然変異の検出システムの開発
吉原亮平¹, 江澤美智², 滝本晃一² (1鳥取大・連農, 2山口大・農)
- P236 環境ストレス応答のリアルタイムライブイメージング
Derek Goto¹, Masaaki Watahiki², Ryouichi Tanaka³, Takeharu Nagai¹ (1Research Institute for Electronic Science, Hokkaido University, Sapporo, 060-0812, Japan, 2Graduate School of Science, Hokkaido University, Sapporo, 060-0810, Japan, 3Institute of Low Temperature Science, Hokkaido University, Sapporo, 060-0819, Japan)
- P237 アラビドプシス *RAD54* 遺伝子の解析とその過剰発現による相同組換え頻度上昇の試み
Keishi Osakabe¹, Kiyomi Abe², Yoshioka Toji³, Hiroaki Ichikawa¹, Barbara Hohn⁴, Seiichi Toki¹ (1NIAS, 2Univ. of Blaise Pascal, 3NARO, 4FMI)
- P238 シアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC7942 株における *dnaK/dnaJ* シャペロンマシンの機能解析

- 山畑光, 小澤慎吾, 坂井正範, 松根(荷村)かおり, 佐藤真純, 吉川博文(東京農大・バイオ)
- P239 シアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC7942 株における *sync1092* の機能解析
吉川卓, 下哲平, 田中仁, 松根(荷村)かおり, 吉川博文(東京農大・バイオ)
- P240 シアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC7942 における HtpG タンパク質によるポルフィリン合成制御機構の解析
渡辺智¹, 小林利彰¹, 斎藤勝和², 仲本準², 吉川博文^{ml}(¹東京農大・バイオ, ²埼玉大学・理・分子生物)
- P241 シアノバクテリア *Synechococcus* sp. PCC 7942 における HtpG と Uroporphyrinogen decarboxylase との相互作用解析
齋藤勝和¹, 渡辺智², 佐藤壮士¹, 小林利彰², 吉川博文², 仲本準¹(¹埼玉大学・理・分子生物, ²東京農大・バイオ)
- P242 オオムギ低温応答性遺伝子 *blt101* のイネホモログ遺伝子は穏やかな低温に対してのみ応答する
秋山高(北海道農研センター)
- P243 コムギ shaggy-like kinase, *TaSK5*, の過剰発現はシロイヌナズナの乾燥耐性を向上させる
Nikolai Christov^{1,2}, Petya Christova^{1,2}, 加藤英樹¹, 今井亮三¹(¹農研機構・北海道農研, ²AgroBioInstitute, Bulgaria)
- P244 コムギ低温馴化における2つのリン脂質生成酵素 aminoalcoholphosphotransferase の低温応答性及び細胞内局在性の解析
須藤慶太¹, 榊剛², 今井亮三¹(¹農研機構・北海道農研, ²北海道東海大・生物工学科)
- P245 イネにおけるトレハロース生成酵素の分子及び生物機能解
島周平^{1,2}, 田原哲士¹, 松井博和¹, 今井亮三²(¹北大院・農, ²農研機構・北農研)
- P246 コムギ低温ショックタンパク質 WCSP1 の核酸結合活性は煮沸後も維持される
中南健太郎¹, 佐々木健太郎¹, 梶田真也², 武田尚², Dale Karlson¹, 扇和子², 今井亮三¹(¹農研機構・北海道農研, ²星葉大)
- P247 細胞膜タンパク質をコードするコムギ低温誘導性遺伝子 *wpi6* の分子生物学的解析
小池倫也^{1,2}, 須藤慶太¹, 川上顕³, 扇田敦史², 大野清春⁴, 今井亮三¹(¹農研機構・北農研, ²(株)北海道グリーンバイオ研究所, ³農研機構・中央農研, ⁴神戸大院・自然)
- P248 シロイヌナズナの低温ショックタンパク質は耐凍性獲得に必要である
金明姫, 佐々木健太郎, 今井亮三(農研機構・北海道農研)
- P249 低温, ABA による耐凍性誘導における長期発現遺伝子の比較
Toshihide Nakamura, Masaya Ishikawa (National Institute of Agrobiological Sciences)
- P250 陸上植物に近縁な緑藻 *Klebsormidium flaccidum* の低温馴化過程における細胞構造変化と適合溶質の蓄積
長尾学, 上村松生(岩手大・農・寒冷バイオ)
- P251 急激な温度降下で生じるセントポーリア葉の傷害は液胞膜の崩壊に起因する
角浜憲明, 鈴木祥弘(神奈川大院・理)
- P252 メチオニン供給系で調節される適合溶質 DMSP の合成
望月祥子¹, 小師由香², 水野孝一³, 足立恭子⁴, 桑野和可⁵, 加藤美砂子¹(¹お茶の水大院・人間文化, ²お茶の水大・理・生物, ³秋田県立大・資源生産, ⁴海洋バイオテクノロジー研究所, ⁵長崎大院・生産)
- P253 *Phomopsis sclerotiioides* によるキュウリ萎凋症状は菌糸による導管閉塞を伴わない
永坂厚, 門田育生(東北農研・畑地利用部)
- P254 シロイヌナズナの根の水分屈性発現を担う細胞群の同定
根岸洋¹, 宮沢豊¹, 坂下哲哉², 小林啓恵¹, 金安智子¹, 大庭淳¹, 舟山知夫², 和田成一²他(¹東北大学・院・生命科学研究所, ²日本原子力研究開発機構・マイクロビーム細胞照射研究グループ, ³群馬大学・生体機能解析講座, ⁴北里大学・院・獣医畜産学研究科)
- P255 低温および乾燥環境下におけるシロイヌナズナのトランスクリプトームおよびメタボローム解析
圓山恭之進¹, 竹田みぎわ², 浦野薫⁵, 佐久間洋¹, 城所聡⁶, 鈴木秀幸², 斎藤和希^{2,3}, 柴田大輔²他(¹国際農研・生物資源, ²かずさ DNA 研究所, ³千葉大院・薬, ⁴JST・CREST, ⁵理研・PSC, ⁶東大院・農学生命科学)
- P256 シロイヌナズナの乾燥, 塩ストレス応答性転写因子 DREB2A における恒常的活性型を用いた下流遺伝子解析
佐久間洋¹, 圓山恭之進¹, 刑部祐理子¹, 秦峰¹, 関原明², 篠崎一雄^{2,3}, 篠崎和子^{2,3,4}(¹国際農研・生物資源, ²理研・PSC, ³CREST, ⁴東大院・農学生命科学)
- P257 Regulation and Functional Analysis of *ZmDREB2A* in Response to Drought and High Temperature Stress from *Zea mays* L.
Feng Qin¹, Masayuki Kakimoto⁴, Yoh Sakuma¹, Kyonoshin Maruyama¹, Yuriko Osakabe¹, Kazuo Shinozaki^{2,3}, Kazuko Yamaguchi-Shinozaki^{1,3,4}(¹Biol. Resources Div., JIRCAS, ²RIKEN PSC, ³CREST, JST, ⁴Plant Mol. Physiol., Grad. Sch. Univ. Tokyo)
- P258 乾燥ストレス下での ABA 合成欠損変異体 *nced3* のメタボローム・トランスクリプトーム解析
浦野薫^{1,2}, 圓山恭之進³, 竹田みぎわ⁴, 鈴木秀幸⁴, 斎藤和季^{2,4,5}, 柴田大輔⁴, 篠崎和子^{3,6}, 篠崎一雄^{1,2}(¹理研・植物分子, ²理研・植物科学センター, ³国際農研・生物資源部, ⁴カズサ DNA 研究所, ⁵千葉大院・薬, ⁶東大院・農学生命科学/JST・CREST)

- P259 乾燥ストレス応答におけるシロイヌナズナの ABA 誘導性転写因子 AREB1 の発現制御機構の解析
藤田泰成¹, 藤田美紀^{2,3}, 佐藤里絵^{1,3}, 圓山恭之進¹, モハメドパルベツ¹, 関原明^{2,4}, 平津圭一郎⁵, 高木優^{3,5} 他
(¹国際農研・生物資源, ²理研・植物分子, ³科技団・CREST, ⁴理研・GSC, ⁵産総研・ジーン, ⁶東大院・農学生命科学)
- P260 乾燥応答性カルシウム結合タンパク質 RD20 遺伝子の機能解析
藤田美紀^{1,2}, 藤田泰成³, 水門佐保^{1,2}, 篠崎和子^{1,3,4}, 篠崎一雄^{1,2,3,5} (1)JST, CREST, ²理研・植物分子, ³国際農研・生物資源, ⁴東大院・農学生命科学, ⁵理研・植物科学セ)
- P261 Role of the ZFHD1 and NAC transcription factors in drought-inducible expression of the *early responsive to dehydration stress 1 (ERD1)* gene of Arabidopsis
Lam-Son Phan Tran¹, Kazuo Nakashima¹, Yoh Sakuma¹, Yuriko Osakabe¹, Kyonoshin Maruyama¹, Kazuo Shinozaki^{2,3}, Kazuko Yamaguchi-Shinozaki^{1,3,4} (¹Biol. Resources Div., JIRCAS, ²RIKEN PSC, ³CREST, JST, ⁴Grad. Sch. Agr. Life Sci., Univ. Tokyo)
- P262 ラン藻における乾燥応答型シグマ因子の遺伝子発現解析
吉村英尚¹, 大森正之^{1,2} (¹東邦大・理, ²埼玉大・理)
- P263 RSOsPR10 タンパク質はイネの悪環境に対する耐性付与に関与する
古川聡子¹, 橋本誠², 岡本龍史^{1,5}, 寺川輝彦³, 小松節子⁴, 小柴共一^{1,5} (¹首都大・生命科学, ²(株)日立サイエンス, ³北興化学, ⁴独法・農業生物資源研, ⁵都立大・院・生物科学)
- P264 イネの根特異的 PR タンパク質 RSOsPR10 の発現調節
島谷健太郎¹, 古川聡子², 小松節子³, 小柴共一^{1,2} (¹都立大・院・生物科学, ²首都大・生命科学, ³独法・農業生物資源研)
- P265 塩生植物 *Suaeda salsa* (L.) pall における NaCl および KCl に対する生育反応と Na・K 吸収特性
森伸介, 織田亮輔, 吉羽雅昭, 但野利秋 (東京農業大学大学院)
- P266 エンドウおよびアズキにおける耐塩性と不飽和脂肪酸との関連
小林雄二, 井上佳代子, 村山素嗣, 前田良之, 但野利秋, 吉羽雅昭 (東京農大・生物応用科学)
- P267 シロイヌナズナの新規耐塩性変異体 *stm1* の解析
坂本光, 松田修, 射場厚 (九州大院・理・生物科学)
- P268 組織の齢の違いが塩ストレス下における抗酸化酵素活性に及ぼす影響
山根浩二, 川崎通夫, 谷口光隆, 三宅博 (名古屋大院・生命農)
- P269 アラビドプシスの新規カチオン輸送体遺伝子破壊株の機能解析
上田晃弘, 三宅博 (名大院・生命農学)
- P270 シロイヌナズナにおける硫酸イオントランスポーターの発現制御に関わる因子の遺伝学的同定
鈴木昭徳¹, 丸山明子¹, 中村有美子¹, 斉藤和季^{1,2}, 高橋秀樹¹ (¹理研・植物科学研究センター, ²千葉大・院薬)
- P271 シロイヌナズナ *RC12A* 遺伝子の過剰発現による Na⁺ 吸収の減少および塩ストレス障害の緩和
三屋史朗, 谷口光隆, 三宅博, 高倍鉄子 (名古屋大院・生命農)
- P272 塩ストレス下の植物におけるメチオニンの生理的役割の解明および S-Adenosyl Methionine 合成系遺伝子群の発現解析
小川さおり¹, 三屋史朗², 高倍鉄子² (¹名古屋大・農, ²名古屋大院・生命農)
- P273 モデル塩生植物 *Thellungiella halophila* のメタボローム解析
太治輝昭^{1,2}, 竹田みぎわ³, 森下宣彦³, 鈴木秀幸³, 斉藤和季⁴, 柴田大輔³, 坂田洋一¹, 田中重雄¹ 他 (¹東農大・バイオ, ²理研・植物分子, ³カズサ DNA 研・NEDO 基盤研, ⁴千葉大院・薬)
- P274 塩生植物アッケシソウ由来の FLA 遺伝子を導入した形質転換タバコの作出
赤塚さとこ, 山田晃代, 小関良宏 (東京農工大院・工)
- P275 アイスプラント由来の RNA 結合タンパク質の機能解析
赤塚宣史, 山田晃世, 小関良宏 (東京農工大学・工)
- P276 *Synechocystis* sp. PCC 6803 における塩, 浸透圧ストレス応答に対するプロテオーム解析
鈴木健裕¹, 榎並勲², 大田尚孝^{2,3}, 堂前直¹ (¹理研・バイオ解析, ²東理大・理, ³東理大・再生工学センター)
- P277 糸状性ラン藻 *Anabaena* sp. PCC 7120 における塩ストレス応答に関わるレスポンスレギュレーター解析
木村聡, 大森正之 (埼玉大・理・分子生物)
- P278 焼却灰溶出液に含まれる負の化学環境因子がイネに与える影響: 弱酸性および強アルカリ性 pH における Ca, Cu, Pb の毒性
須藤恵美¹, 吉田佳代¹, 井藤賀操¹, 小野芳朗², 榎原均¹ (¹理研・植物科学研究センター, ²岡山大・環境理工)
- P279 ニコチアミンは Ni 過剰害を緩和する
金秀蓮¹, 高橋美智子¹, 樋口恭子², 角田恭子¹, 中西啓仁¹, 吉村悦郎¹, 森敏¹, 西澤直子^{1,3} (¹東大・農, ²東農大, ³CREST)
- P280 生殖器官および種子への金属輸送におけるニコチアミンおよびムギネ酸の役割
高橋美智子¹, 井上晴彦², 石丸泰寛¹, 中西啓仁¹, 森敏¹, 西澤直子^{1,2} (¹東京大院・農, ²CREST)
- P281 ムギネ酸類分泌機構に関わる遺伝子の探索

- 長坂征治^{1,2}, 高橋美智子², 中西啓仁², 森敏², 西澤直子^{1,2} (¹CREST, ²東大院・農)
- P282 イネのカドミウム吸収は鉄欠乏によって上昇し, この吸収は2価鉄トランスポーター OsIRT1 と OsIRT2 によっている
小川一平¹, 中西啓仁¹, 石丸泰寛¹, 高橋美智子¹, 森敏¹, 西澤直子^{1,2} (¹東大院・農学生命科学, ²CREST)
- P283 イネの OsYSL2 と OSYSL15 は鉄の吸収・移行に関与している
井上晴彦^{1,2}, 青山貴紘¹, 高橋美智子¹, 中西啓仁¹, 森敏¹, 西澤直子^{1,2} (¹東大院・農, ²CREST)
- P284 イネ科植物の鉄吸収にかかわる新規 bHLH 型転写因子の解析
小郷裕子¹, 板井玲子², 中西啓仁¹, 小林高範², 井上晴彦², 高橋美智子¹, 森敏¹, 西澤直子^{1,2} (¹東大院, ²CREST)
- P285 ラン藻の SmtA を改変したポリペプチドによる重金属の蓄積および金属選択性
中岡美和¹, 松本亘弘¹, 西山佳孝², 林秀則² (¹愛媛大院・理工, ²愛媛大・無細胞研究センター)
- P286 酵母の発現スクリーニングによるカドミウム耐性植物遺伝子 BBI の単離と発現解析
土反伸和¹, 堀内健一², 佐藤文彦³, 矢崎一史¹ (¹京大生存圏, ²ニッタ株式会社, ³京大生命)
- P287 アラビドプシスにおけるフェリチン遺伝子ファミリーの発現解析
古堅宗太郎^{1,2}, 庄子和博¹, 篠崎開², 吉原利一¹, 後藤文之¹ (¹電力中央研・バイオ領域, ²東京電機大・物質工)
- P288 アサガオにおけるオゾン応答機構の解明
青野光子, 久保明弘, 中嶋信美, 玉置雅紀, 佐治光 (国立環境研究所)
- P289 オゾン暴露時のシロイヌナズナのサリチル酸蓄積は負のフィードバック制御を受けている
小川大輔¹, 中嶋信美², 玉置雅紀², 青野光子², 久保明弘², 鎌田博¹, 佐治光² (¹筑波大院・生命環境, ²国立環境研究所)
- P290 シロイヌナズナのオゾン暴露ストレスに対するサリチル酸とエチレンの防御的役割に関する研究
吉田征司¹, 玉置雅紀², 中嶋信美², 小川大輔³, 青野光子², 久保明弘², 鎌田博^{1,3}, 佐治光² (¹筑波大院・バイオシステム, ²国立環境研究所, ³筑波大院・生命環境)
- P291 ジャスモン酸による抗酸化物質代謝経路の協調的活性化がシロイヌナズナの酸化ストレス耐性を引き起こす
関本(佐々木)結子¹, 多木希¹, 大林武¹, 青野光子², 松本史紀¹, 櫻井望³, 鈴木秀幸³, 平井優美^{4,5,6} 他 (¹東工大院・生命理工, ²国立環境研究所, ³かずさ DNA 研究所・NEDO 基盤研, ⁴千葉大院・薬, ⁵CREST, ⁶理研・植物科学研究センター)
- P292 緑藻 *Spirogyra* の藻類型および陸上植物型 Mn-SOD の性質と遺伝子構造
金松澄雄, 黒木大志朗, 田島孟紀 (南九州大・食品)
- P293 Enhancement of oxidative stress tolerance in transgenic tobacco plants (*Nicotiana tabacum*) overexpressing either monodehydroascorbate reductase or dehydroascorbate reductase
Amin Eltayeb^{1,3}, Naoyoshi Kawano^{1,2}, Ghazi Badawi¹, Hironori Kaminaka¹, Shinobu Inanaga², Kiyoshi Tanaka¹ (¹Fac. Agriculture, Tottori Univ., ²JIRCAS, ³ARTC, Sudan)
- P294 植物における ADP-リボース代謝の酸化的ストレス耐性能に及ぼす影響
石川和也¹, 小川貴央¹, 上田弥生¹, 吉村和也², 重岡成¹ (¹近畿大・院・バイオ, ²奈良先端大・バイオ)
- P295 シロイヌナズナの葉の位置決定
間野絵梨子^{1,2}, 堀口吾朗², 塚谷裕一^{2,3} (¹総研大・先導研, ²基生研, ³東大院・理)

情報伝達・遺伝子発現制御

- P296 シロイヌナズナ Dof 転写因子ファミリーの発現解析
小西美穂子, 柳澤修一 (東大院・農)
- P297 シロイヌナズナの低浸透圧応答性遺伝子 *ProDH* の発現制御に関与する転写因子 ATB2 サブグループの解析
佐藤里絵^{1,2}, 藤田泰成¹, 中島一雄¹, 篠崎一雄^{2,4}, 篠崎和子^{1,2,3} (¹国際農研・生物資源, ²CREST・JST, ³東大・院・農学生命科学, ⁴理研 PSC)
- P298 ユーカリ木繊維形成に関わる遺伝子群の発現制御機構の解析
～一分子蛍光分析法を用いたプロモーターと転写因子の相互作用解析～
小坂久子, 佐藤茂, 中元志穂, 山田奈々江, 日尾野隆 (王子製紙(株)・森林資源研究所)
- P299 糸状性ラン藻 *Anabaena* sp. PCC 7120 における cAMP 受容体タンパク質 AnCrpA の標的遺伝子の探索
鈴木崇之^{1,3}, 吉村英尚², 得平茂樹³, 池内昌彦¹, 大森正之^{2,3} (¹東大院・総合文化・広域科学・生命環境, ²東邦大・理・システム環境バイオロジー, ³埼玉大・理・分子生物)
- P300 シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 における, 窒素欠乏による糖異化遺伝子群の発現誘導
小山内崇¹, 今村荘輔¹, 朝山宗彦², 白井誠², 金久實³, 鈴木石根⁴, 村田紀夫⁴, 田中寛¹ (¹東大・分生研, ²茨城大・農, ³京大・化研, ⁴基生研)

- P301 イネ葉緑体 *in vitro* 転写系の構築
久保田芳樹, 白井誠, 朝山宗彦 (茨城大学・農・分子遺伝学)
- P302 葉緑体 RNA エディティングには多様な部位特異的因子が関与する
小林優介¹, 阪本康司¹, 宮本徹也¹, 松尾充啓¹, 山田恭司², 杉浦昌弘³, 若杉達也², 小保方潤一¹ (¹名古屋大・遺伝子, ²富山大・理, ³名古屋市立大・システム自然科学)
- P303 シロイヌナズナ PPR タンパク質 CRR4 による葉緑体 RNA 編集機構の解明
奥田賢治¹, 清水敏之², 鹿内利治¹ (¹九大院・農, ²横浜市大・国際総合科学)
- P304 システミックジーンサイレンシングにおける二次的 siRNA の解析
岡慎一郎¹, 島村克好¹, 霜島由美¹, 児玉浩明² (¹千葉大・院・自然科学, ²千葉大・園芸・生物化学)
- P305 シロイヌナズナの UPF1 NMD RNA helicase は生育に必須でその変異は糖シグナル応答を含む多面的表現型を示す
用稲真人¹, 小内清^{2,4}, 三田悟³, 大藤雅章^{2,5}, 中村研三¹ (¹名大院・生命農, ²基生研・発生, ³静岡大・遺伝子, ⁴現在; 名大・遺伝子, ⁵現在; Div. Biol. Sci., Univ. Calif., Davis, USA.)
- P306 シロイヌナズナ UPF3 は異常なスプライシングによる mRNA を抑制する
堀孝一, 木崎学, 渡辺雄一郎 (東大院・総合文化)
- P307 イネ *du3* 遺伝子の発現と機能解析
松田康之¹, 高崎彩¹, 一色正之¹, 佐藤光², 島本功¹ (¹奈良先端大・バイオ, ²九州大・農)
- P308 シロイヌナズナの低温応答性 SR タンパク質の機能解析
田部記章¹, 木村彩子¹, 朝野未奈子¹, 吉村和也², 石川孝博³, 重岡成¹ (¹近畿大・院・バイオ, ²奈良先端大・バイオ, ³島根大・生物資源・生命工)
- P309 ペチュニアの花のホメオティック遺伝子 *pMADS3* のエピジェネティック機構による転写活性化
渋谷健市^{1,2}, 馬場晶子¹, 高辻博志¹ (¹生物研, ²学振特別研究員)
- P310 ヒロハノマンテマ *AP3* ホモログの Y 染色体重複転移と DNA メチル化による発現制御
西山りゑ¹, 石井公太郎¹, 貴船永津子², 風間裕介¹, 河野重行¹ (¹東京大・院・新領域・先端生命, ²東京大・理・生物科学)
- P311 Characterization of DNA methyltransferase genes in *Brassica rapa*
Ryo Fujimoto, Taku Sasaki, Takeshi Nishio (Graduate School of Agricultural Science, Tohoku University)
- P312 シロイヌナズナにおける揮発性化合物の受容・伝達メカニズムの研究
浅井尚子^{1,2}, 古市卓也³, 高林純示^{1,4}, 西岡孝明^{1,2} (¹CREST JST, ²京大院・農, ³名大院・医, ⁴京大・生態研)
- P313 TAP (Tandem Affinity Purification) 法によるイネ OsGI 複合体の単離
阿部誠, 黒谷賢一, 池田美香, 横井修司, 島本功 (奈良先端大・バイオ)
- P314 植物の MAP キナーゼ脱リン酸化酵素・NtMKP1 の活性はカルモジュリンの結合ではなく, 生理的基質である SIPK の結合により活性化される
加藤新平¹, 刈田英利^{1,2,3}, 山川博幹^{1,2}, 瀬尾茂美^{1,2}, 光原一朗^{1,2}, 朽津和幸³, 大橋祐子^{1,2} (¹生物研, ²PROBRAIN, ³東京理科大・理工)
- P315 COP9 シグナロソームの新規制御メカニズムの解析
柘植知彦^{1,2}, 安喜史織¹, 堂前直², Suchithra MENON³, Elah PICK³, Ning WEI³, 岡穆宏¹ (¹京都大・化研, ²理研・バイオ解析チーム, ³Yale 大・MCDB)
- P316 緑藻クラミドモナスにおいて CO₂ 応答性遺伝子を制御する因子 CCM1 の亜鉛結合性と複合体形成
小日向務, 西野悠久, 山原洋佑, 福澤秀哉 (京大院・生命)
- P317 タバコ FtsH プロテアーゼの機能解析
松嶋修平, 天野豊己, 井川裕之, 塩井祐三 (静岡大・理)
- P318 シロイヌナズナ FtsH プロテアーゼの機能解析
天野豊己¹, 坂本亘², 塩井祐三¹ (¹静岡大・理, ²岡山大・資生研)
- P319 シアノバクテリアにおけるタンパク質の脂質修飾
氏原哲朗, 桜井勇, 和田元 (東大・院・総合文化)
- P320 ジャスモン酸によって誘導されるイネ懸濁培養細胞の細胞質酸性化
矢崎芳明, Michael Riemann, 南栄一, 坂野勝啓, 大橋祐子, 高野誠 (農業生物資源研)
- P321 A novel R2R3 MYB transcription factor NtMYBS1 is a methyl jasmonate-dependent regulator of phenylpropanoid-conjugate biosynthesis in tobacco
Ivan Galis, Tomoko Narisawa, Ken Matsuoka (RIKEN Plant Science Center, Yokohama)
- P322 シロイヌナズナにおけるリン酸リレー依存的サイトカニン応答性新規遺伝子群のゲノムワイド解析
内藤隆人, 小泉宣哉, 木羽隆敏, 山篠貴史, 水野猛 (名大院・生命農)

- P323 ブラシノステロイド情報伝達突然変異体 W114, *bpg2*, *Z1* の解析
小松知之^{1,2}, 中野雄司², 中澤美紀³, 松井南³, 篠崎一雄⁴, 川出洋², 安部浩², 辻本雅文¹ 他¹ (理化学研究所中央研,² 東京農工大学大学院,³ 理化学研究所 GSC,⁴ 理化学研究所 PSC)
- P324 イネにおけるブラシノステロイド生合成阻害剤 Brz 耐性突然変異体探索の試み
深澤征司^{1,2}, 中野雄司¹, 飯野真由美^{1,3}, 森昌樹⁴, 辻本雅文¹, 竹内安智², 米山弘一², 浅見忠男¹ (理化学研究所中央研究所,² 宇都宮大学野生植物科学研究センター,³ 東京農工大大学院連合農学研究科,⁴ 農業生物資源研究所)
- P325 アラビドプシスの *PDR9* 遺伝子は合成オーキシシン 2,4-D を排出する ABC トランスポーターをコードする
伊藤博紀, Gray William (Department of Plant Biology, University of Minnesota-Twin Cities)
- P326 非典型的 Aux/IAA タンパク質の機能の分子遺伝学的研究
佐藤敦子, 綿引雅昭, 山本興太郎 (北海道大院・理)
- P327 シロイヌナズナ種子におけるジベレリン作用の高温による制御
藤茂雄¹, 今村茜¹, 岡本昌憲^{2,3}, 花田篤志³, 神谷勇治³, 山口信次郎³, 南原英司³, 川上直人¹ (明大・農・生命科学,² 都立大・院・理,³ 理研・植物科学センター)
- P328 転写因子 RSG の機能制御における NtCDPK の役割
中田克¹, 松永祥子¹, 石田さらみ², 古本強¹, 高橋陽介¹ (広島大院・理,² 東大院・理)
- P329 マイクロアレイによるイネの葯特異的遺伝子の解析-*gamyb* 変異体において発現が変動する遺伝子群について
安益公一郎¹, 上口(田中)美弥子¹, 近藤真紀², 辻寛之¹, 芦荻基行¹, 西村幹夫², 松岡信¹ (名大・生物機能開発利用研究センター,² 基生研・細胞生物)

包括的解析

- P330 ポプラ完全長 cDNA の大規模収集
植城時彦¹, 櫻井哲也², 十時泰³, 豊田敦³, 西口満¹, 二村典宏¹, 伊ヶ崎知弘¹, 角友之¹ 他¹ (森林総研,² 理研 PSC,³ 理研 GSC)
- P331 トマトとユーカリのゲノム塩基配列解析プロジェクトの現状
金子貴一, 佐藤修正, 中村保一, 笹本茂美, 小野章子, 渡邊安希子, 田畑哲之 (かずさ DNA 研)
- P332 アカクローバ高密度連鎖地図の作製と比較ゲノム解析
田畑哲之¹, 佐藤修正¹, 浅水恵理香¹, 片岡達平², 近江戸伸子², 櫻井望¹, 金子貴一¹, 中村保一¹ 他¹ (かずさ DNA 研究所,² 神戸大・発達科学,³ ウィリアムス飼料作研究所,⁴ 北海道農業研究センター)
- P333 アブラナ科植物における病害および環境ストレス応答遺伝子の比較ゲノムおよび機能ゲノム解析
鳴坂義弘¹, 鳴坂真理¹, 安部洋², 小林正智² (東京学芸大・自然,² 理研 BRC)
- P334 全ゲノム配列を用いた分子系統解析法の開発と原核光合成生物への応用
佐藤壮一郎¹, 田中忠² (北大院・理,² 北大・低温研)
- P335 タバコ培養細胞 BY-2 株由来完全長 cDNA 解析とオリゴヌクレオチドマイクロアレイ
松岡健, 成澤知子, Ivan Galis (理化学研究所・植物科学研究センター)
- P336 シロイヌナズナにおけるスペルミンシグナル伝達経路の解析
三ッ谷佳子¹, 高橋芳弘², トーマスベルリッヒ², 宮寄厚¹, 松村英生², 高橋英樹³, 寺内良平², 草野友延¹ (東北大院・生命,² 岩手生工研,³ 東北大院・農)
- P337 DNA マイクロアレイを用いたシアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 のシグマ因子の機能解析
東美由紀¹, 兼崎友^{1,2}, 小山内崇¹, 朝山宗彦³, 白井誠³, 村田紀夫², 鈴木石根², 金久實⁴ 他¹ (東大分生研,² 基生研,³ 茨城大農,⁴ 京大化研)
- P338 比較ゲノム解析に向けた緑藻クラミドモナスのゲノム情報の確立
山野隆志¹, 佐竹知也¹, 甲津嘉人¹, 鈴木穰², 菅野純夫², 藤山秋佐夫³, 大和勝幸¹, 河内孝之¹ 他¹ (京大院・生命科学,² 東大院・新領域,³ 国立情報学研究所)
- P339 シロイヌナズナ遺伝子と相同性をもたないトマト遺伝子群の発現パターン
矢野健太郎¹, 津金胤昭², 渡邊学², 前田ふみ², 青木考¹, 柴田大輔¹ (かずさ DNA 研,² 千葉県農業総合研究センター)
- P340 植物免疫研究におけるマイクロアレイ技術を用いた遺伝子診断法の開発
鳴坂真理¹, 安部洋², 小林正智², 関原明^{3,4}, 篠崎一雄^{5,6}, 鳴坂義弘¹ (東京学芸大・自然,² 理研 BRC,³ 理研 GSC,⁴ 理研・植物分子,⁵ 理研 PSC,⁶ CREST)
- P341 ミヤコグサ培養細胞における代謝産物解析
西田寛^{1,2}, 櫻井望², 鈴木秀幸², 柴田大輔² (バイオテクノロジー開発技術研究組合,² かずさ DNA 研・NEDO 基盤研)
- P342 FT-ICR MS メタボロミクス解析による代謝変調の高速解析と変調マーカー分子同定

- 及川彰^{1,2}, 小倉知典¹, 木村篤子¹, 中村由紀子³, 櫻井望⁴, 鈴木秀幸⁴, 斉藤和季⁵, 柴田大輔⁴他 (1 大府大院・生命環境, 2 バイオテクノロジー開発技研, 3 奈良先端大・情報, 4 かずさ DNA 研, 5 千葉大院・薬)
- P343 FT-ICR/MS 分析におけるメタボロームプロファイリング: メタボローム解析システムと植物代謝物質検索システムを用いた代謝産物解析
中村由紀子^{1,2}, 真保陽子¹, 旭弘子¹, Md. Altaf-Ul-Amin¹, 黒川顕¹, 及川彰^{3,4}, 木村篤子³, 森下宜彦⁵他 (1 奈良先端大・情報, 2 愛媛女子短大・生命科学研究, 3 大府大院・生命環境, 4 バイオテクノロジー開発技研, 5 かずさ DNA 研・NEDO 基盤研, 6 理研・PSC & 千葉大院・薬)
- P344 均一安定同位体標識化植物細胞を用いた 2 次元 NMR 法代謝動態解析技術開発の試み
岡本真美¹, 平山隆志^{1,2,3}, 菊地淳^{1,4} (1 横市大院総科, 2 理研 GSC, 3 理研植物分子, 4 理研 PSC)
- P345 非侵襲 NMR 計測によるメタボローム解析の試み
森哲哉¹, 西窪伸之², 出村拓², 平山隆志^{1,3,4}, 菊地淳^{1,2} (1 横市院総科, 2 理研 PSC, 3 理研植物分子, 4 理研 GSC)

技術開発・基盤整備

- P346 NADP 特異的イソクエン酸脱水素酵素の発現抑制がユーカーリの酸性土壌耐性に及ぼす効果
木原智仁¹, 鈴木雄二^{1,2}, 水野梨絵¹, 河津哲¹, 小山博之³ (1 王子製紙・森林資源研, 2 東北大・院農, 3 岐阜大・応用生物)
- P347 ヒヤクニチソウ培養細胞を用いた遺伝子発現系による木部細胞および管状要素分化機構の解析
栗山英夫, 福田裕穂 (東大・院・理・生物科学)
- P348 新しい育種方法 (リブレイシング) の開発
田由香, 柏木孝幸, 広津直樹, 石丸健 (農業生物資源研究所)
- P349 高い不定胚形成能を有するシロイヌナズナ野生株の探索
小林俊弘, 小林正智 (理研・BRC)
- P350 ゼニゴケ培養細胞を用いた葉緑体形質転換系の構築
千代田将大¹, Philip J. Linley¹, 横田明穂², 福澤秀哉¹, 河内孝之¹ (1 京大院・生命, 2 奈良先端大・バイオ)
- P351 プロモーターと cDNA を自由に組み合わせてクローニングができる Hybrid Gateway Binary Vector システムの開発
大岡誉¹, 木村哲哉², 石黒澄衛³, 中川強¹ (1 島根大・総科センター遺伝子, 2 三重大・生物資源, 3 名大院・生命農)
- P352 2 遺伝子の同時クローニングが可能な Dual Site Gateway Binary Vector—Dual Reporter による解析への利用—
中村真也¹, 照田展大¹, 大岡誉¹, 日野武志¹, 木村哲哉², 石黒澄衛³, 中川強¹ (1 島根大・総科センター遺伝子, 2 三重大・生物資源, 3 名大院・生命農)
- P353 イネ遺伝子破壊系統の大規模表現型解析とデータベース化
宮尾安藝雄¹, 岩崎行玄², 北野英己³, 伊藤純一⁴, 前川雅彦⁵, 矢頭治⁶, 村田和優^{nl}, 長戸康郎⁴他 (1 農業生物資源研・分子遺伝, 2 福井県立大・生物資源, 3 名古屋大・生物機能開発利用, 4 東大院・農学生命科学, 5 岡山大・資源生物科学, 6 中央農業総合研究セ・北陸地域基盤)
- P354 FOX Hunting System を用いたイネ遺伝子の包括的機能解析 2. FOX イネ系統における導入遺伝子の解析
羽方誠¹, 中村英光¹, 浅野敬幸¹, 梶川真理子¹, 天野晃¹, 土岐尚子¹, 東直邦¹, 藤田美紀²他 (1 生物研, 2 理研)
- P355 FOX Hunting System を用いたイネ遺伝子の包括的機能解析 1. 概要と進捗状況
中村英光¹, 羽方誠¹, 梶川真理子¹, 安藤成子¹, 天野晃¹, 土岐尚子¹, 東直邦¹, 藤田美紀²他 (1 生物研, 2 理研)
- P356 高塩または高温ストレスに耐性を示すイネ FOX ラインの選抜
横谷尚起¹, 富士本奈加¹, 市川尚斉², 近藤陽一², 廣近洋彦³, 松井南², 岩淵雅樹¹, 小田賢司¹ (1 岡山県生物科学総合研究所, 2 理研・GSC, 3 農業生物資源研究所)
- P357 イネ FOX ハンティングシステムを用いた紫外線感受性に関わるイネ遺伝子の探索
高橋真哉¹, 市川尚斉¹, 近藤陽一¹, 石川明苗¹, 川島美香¹, 廣近洋彦², 松井南¹ (1 理研 GSC・植物ゲノム, 2 農業生物資源研究所)
- P358 イネ FOX ラインを用いた光合成関連変異株の単離
樋口美栄子¹, 松井敬子¹, 市川尚斉¹, 近藤陽一¹, 石川明苗¹, 川島美香¹, 廣近洋彦², 松井南¹ (1 理研・GSC・植物ゲノム, 2 農業生物資源研究所)
- P359 イネ FOX ラインからの種子形状変異体スクリーニング
黒田浩文¹, 堀井陽子¹, 市川尚斉¹, 近藤陽一¹, 石川明苗¹, 川島美香¹, 廣近洋彦², 松井南¹ (1 理研・GSC・植物ゲノム, 2 (独) 農業生物資源研究所)
- P360 イネ FOX ラインからの元素, 色素高蓄積変異体の単離
近藤陽一¹, 川島美香¹, 市川尚斉¹, 石川明苗¹, 廣近洋彦², 松井南¹ (1 理研・GSC, 植物ゲノム, 2 農業生物資源研究所)

- P361 シロイヌナズナ FOX ラインの評価：形質の再現性について
市川尚查¹，中澤美紀¹，近藤陽一¹，石川明苗¹，川島美香¹，飯泉治子¹，関原明¹，藤田美紀² 他（¹理研・GSC，²CREST・JST，³NEC ソフト，⁴理研・PSC）
- P362 遺伝子リテラシーに繋がる新規理科教材の開発
小野道之，日向岳王，中川繭，鎌田博（筑波大学院・生命環境科学）
- P363 関東地方における除草剤耐性遺伝子組換えセイヨウアブラナの分布調査
中嶋信美，西沢徹，玉置雅紀，青野光子，久保明弘，佐治光（国立環境研究所）
- P364 耐塩性遺伝子を導入した形質転換ユーカリの生育評価試験
河岡明義¹，菊池彰²，島崎高嘉²，于翔²，渡邊和男²，海老沼宏安¹（¹日本製紙・森林科学研究所，²筑波大学・遺伝子実験センター）
- P365 植物オルガネラデータベース：オルガネラ動態および研究方法のデータベースの構築
真野昌二^{1,2}，三輪朋樹³，西川周一⁴，三村徹郎⁵，西村幹夫^{1,2}（¹基生研・細胞生物，²総合研究大学院大・生命科学，³基生研・電子計算機室，⁴名大・院・理，⁵神戸大・理）
- P366 シロイヌナズナ野性株利用の環境整備
井内聖，小林正智（理研・BRC）
- P367 NBRP シロイヌナズナ／植物培養細胞・遺伝子
小林正智，安部洋，井内聖，小林俊弘（理研 BRC）
- P368 ナショナルバイオリソースプロジェクトにおける「藻類」の収集・保存・提供事業
笠井文絵¹，川井浩史²，井上勲³，寫田智⁴，辻彰洋⁵，横田明⁶，河地正伸¹，平林周一¹ 他（¹国立環境研・生物，²神戸大・内海環境セ，³筑波大・生物科学系，⁴北海道大学・創成，⁵科博・植物，⁶東京大学・分生研）
- P369 ナショナルバイオリソースプロジェクト「コムギ」—複雑系ゲノム解析のモデル植物—
遠藤隆¹，那須田周平¹，河原太八¹，安井康夫¹，笹隈哲夫²，笹沼恒男²，辻本壽³，田中裕之³ 他（¹京大院・農，²横浜市大・木原生研，³鳥取大・農，⁴理研・植物科学センター，⁵京府大院・農）
- P370 機能ゲノム研究および進化・多様性，遺伝・育種研究に不可欠なイネ遺伝資源
倉田のり¹，佐藤光²，吉村淳²，佐藤洋一郎³，北野英巳⁴，長戸康郎⁵（¹遺伝研・系統セ，²九大院・農，³地球環境研，⁴名大院・農，⁵東大院・農）
- P371 ナショナルバイオリソースプロジェクト「アサガオ」
仁田坂英二¹，飯田滋²，星野敦²，小野道之³（¹九州大院・理，²基生研，³筑波大院・生命環境科学）
- P372 ナショナルバイオリソースプロジェクト『広義キク属』
増田優，落合利紀，近藤勝彦（広島大院・理学研究科付属植物遺伝子保管実験施設）
- P373 オオムギのバイオリソース—多様性とゲノム—
佐藤和広，武田和義（岡大・資生研）
- P374 農業生物資源研究所の保有する遺伝資源とゲノムリソース
バルタザールアントニオ，白田和人，宮尾安藝雄，新野孝男，河瀬眞琴，佐藤豊三，峰澤満，長村吉晃他（農業生物資源研究所）
- P375 マメ科のモデル，ミヤコグサが作物研究にもたらすもの
明石良（宮崎大・農）

